

Data Infrastructure for Innovation in Life Science And Biotechnology in China

Juncai MA

Institute of Microbiology, Chinese Academy of Sciences

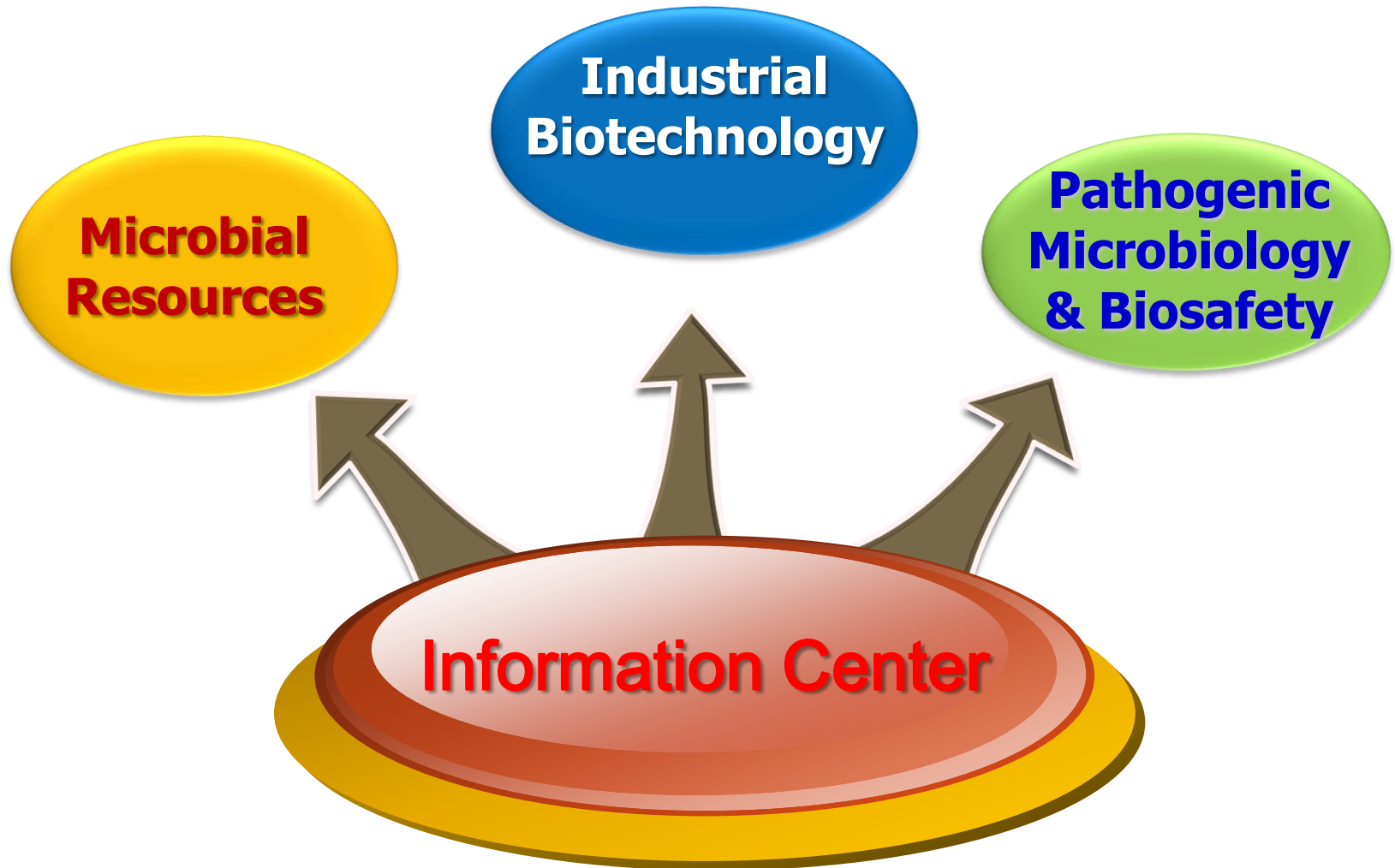


Institute of Microbiology, CAS



23,000 m², 300 staffs, 300 students

Research Fields



IMCAS BRC



Total: 17



Total: 9

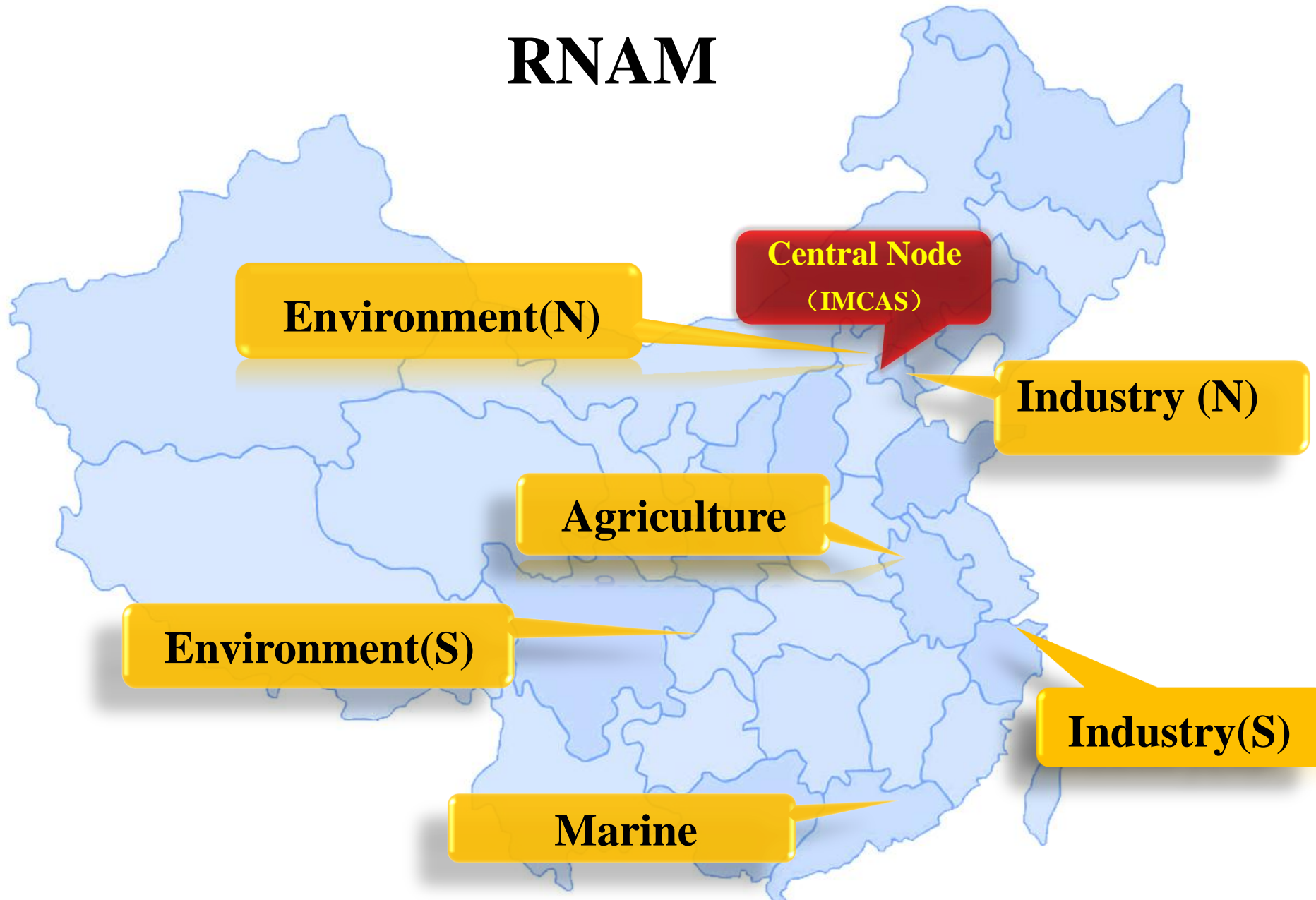


Total: 440m² (110m²/room x 4 rooms)

- **35,100 strains**
- **2,900 patent strains**
- **ISO 9001**
- **Sequencing all strains**

**Research Network of
Applied Microorganisms
Chinese Academy of Sciences
(RNAM)**

RNAM



★ 15 CAS institutes ★ 23 network labs ★ 108 research groups

Central Node

- ◆ Affiliated with IMCAS
- ◆ Director: HUANG Li
- ◆ Technology platform
 - Culture collection
 - Information center
 - Microbial technology platform
- ◆ Standardized management system
 - Methods for identification
 - Data standard for microbial information
 - Management of IP-related issues



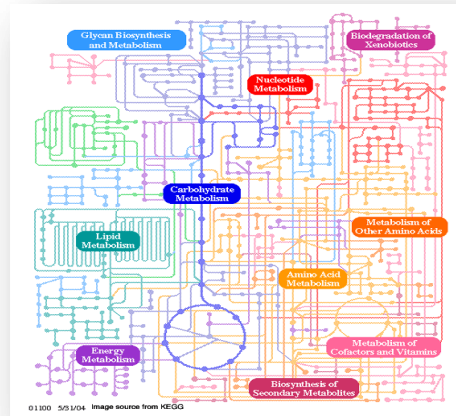
Industrial Microbiology Node

South Node

- ◆ Affiliated with Institute of Plant Physiology & Ecology
- ◆ 3 Labs:
 - ◆ Bio-fuel
 - ◆ Secondary metabolite
 - ◆ Food microbes

North Node

- ◆ Affiliated with Tianjin Inst. of Industrial Biotechnology
- ◆ 4 Labs:
 - ◆ Energy microbes
 - ◆ Food microbes
 - ◆ Material microbes
 - ◆ Bio-active materials



Environmental Microbiology Node

South Node

- ◆ Affiliated with Chengdu Institute of Biology
- ◆ Labs:
 - ◆ Treatment and utilization of waste water
 - ◆ Mechanism and technology of environmental bio-recovery

North Node

- ◆ Affiliated with IMCAS
- ◆ Labs:
 - ◆ Hydro-microbiol.genetics
 - ◆ Degradation of contaminant and bio-recovery
 - ◆ Treatment and utilization of waste water
 - ◆ Monitoring and evaluation of environmental microbes



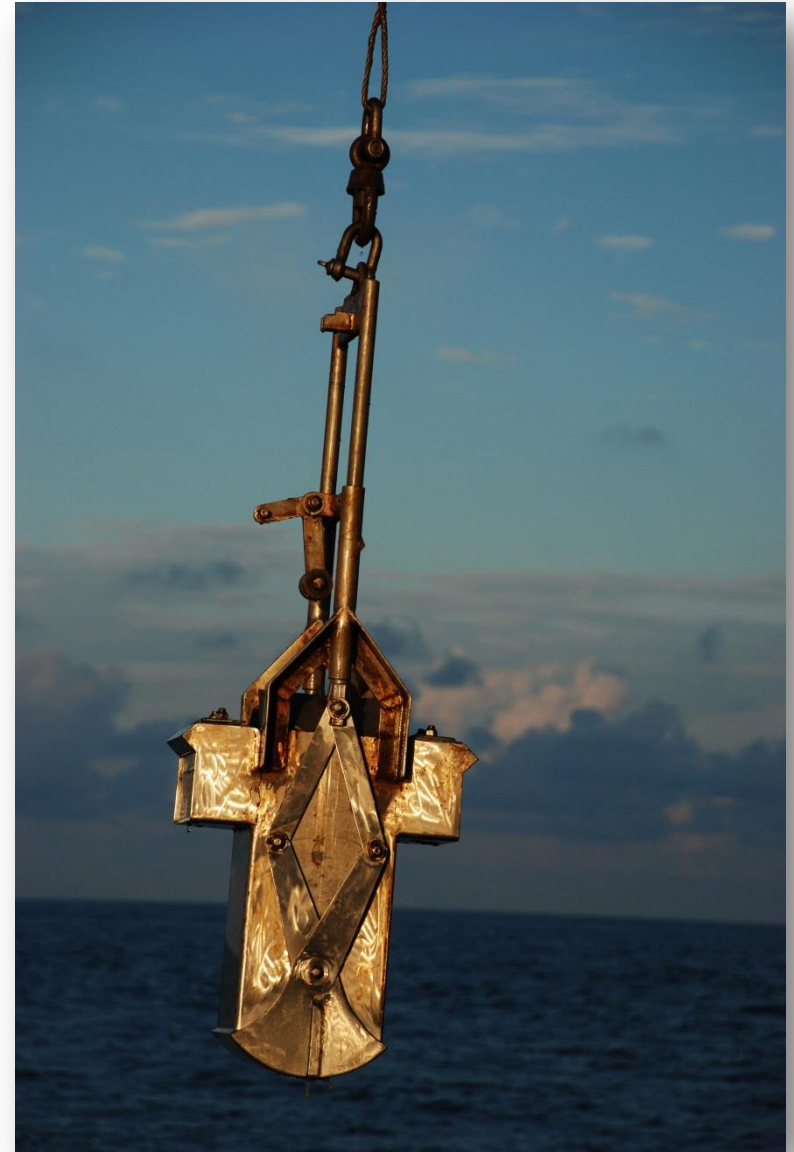
Agricultural Microbiology Node

- ◆ Affiliated with Wuhan Institute of Virology
- ◆ Labs:
 - ◆ Earth microbes
 - ◆ Anti-worms microbes
 - ◆ Eatable, durg and applied fungi
 - ◆ Biological fertilizer
 - ◆ Plant pathogen and applied microbes



Marine Microbiology Node

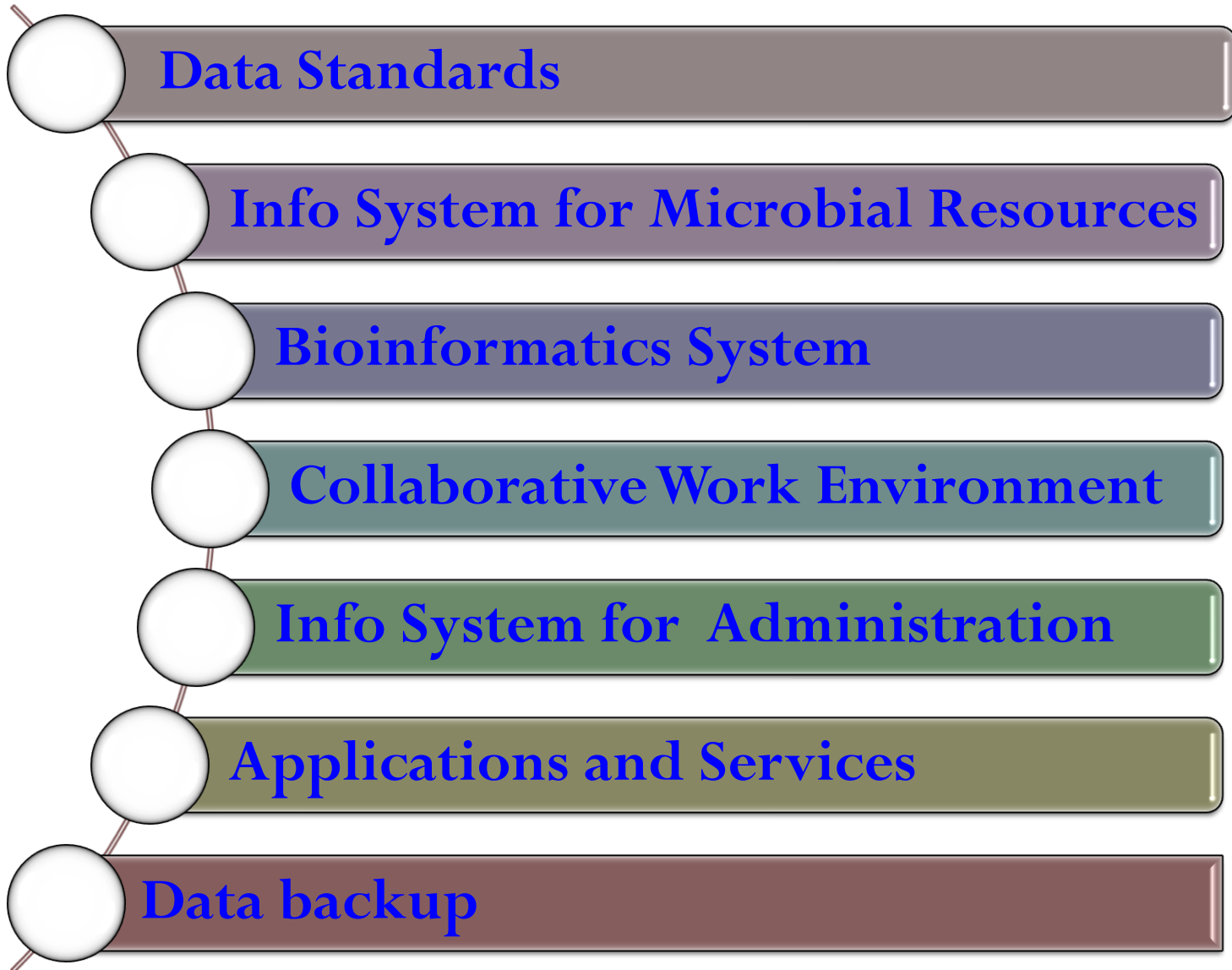
- ◆ Affiliated with South China Sea Institute of Oceanology
- ◆ 4 labs:
 - ◆ Secondary metabolism and genetics
 - ◆ Disease control
 - ◆ Extremophiles
 - ◆ Coastal microbes



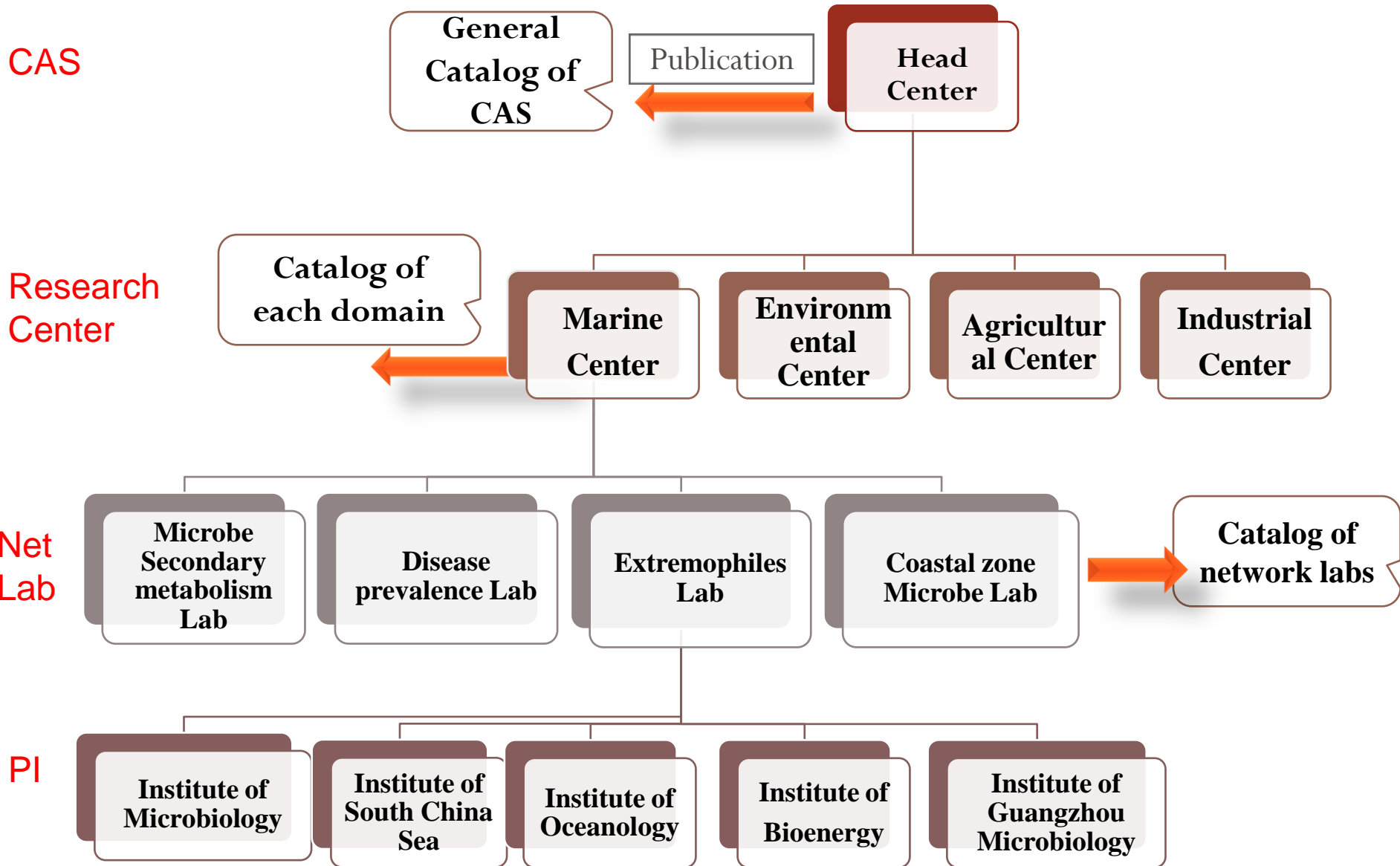




Main Works in Information Center



CAS Catalogue of Applied Microorganisms



Data standards

◆ Data to collect:

- ✓ Microbial Resources
- ✓ Functional Data : sequence, application, etc
- ✓ Administration data : staff, equipment, contract
- ✓ Research result data : paper, patent , biotechnology

全局根组

微生物资源收集整合及共性技术平台建设

工业微生物研究中心(北方)

食品微生物网络实验室(北方)

材料微生物网络实验室

生物活性物质网络实验室

工业分中心(北方)

能源微生物网络实验室wie

工业微生物研究中心(南方)

生物燃料网络实验室

次生代谢产物网络实验室

食品微生物网络实验室(南方)

工业分中心(南方)

海洋微生物研究中心

海洋微生物次生代谢与遗传网络实验室

海洋极端环境微生物网络实验室建设

海岸带微生物网络实验室建设

海洋分中心

海洋微生物病害的流行机制及其防控

农业微生物研究中心

土壤微生物网络实验室

杀虫微生物资源与应用网络实验室

食药菌及应用真菌网络实验室

微生物资源与生物肥料研究网络实验室

植物病原与应用微生物网络实验室

农业分中心

环境微生物研究中心(成都)

生物强化废水处理及资源化网络实验室

污染环境生物修复中的微生物学机理与

典型持久性有机毒害物污染土壤的微生物

环境分中心(成都)

环境微生物研究中心(北京)

水生微生物基因组网络实验室

污染物降解与生物修复网络实验室

废水生物处理与资源化网络实验室

微生物环境监测与环境质量评估网络实

环境分中心(北京)

总中心

信息中心

微生物资源中心

办公室

注销本次登录

所有用户列表 添加用户 用户分组 修改密码 删除 授权 记录

序号	用户列表	用户组
1	xiangwenzhou	海岸带微生物网络实验室建设
2	zhanghaibo	海洋微生物次生代谢与遗传网络实验室建设
3	jujianhua	海洋微生物次生代谢与遗传网络实验室建设
4	dongjunde	海洋分中心
5	sunli	海洋微生物病害的流行机制及其防控
6	huangxiaohong	海洋微生物病害的流行机制及其防控
7	zhangguangtao	海洋微生物次生代谢与遗传网络实验室建设
8	luopeng	海洋微生物病害的流行机制及其防控
9	visualdb	
10	renchunhua	海洋微生物病害的流行机制及其防控
11	zhudaochen	海洋极端环境微生物网络实验室建设
12	wangbo	海洋微生物次生代谢与遗传网络实验室建设
13	qilimei	海洋微生物病害的流行机制及其防控
14	songlei	海洋极端环境微生物网络实验室建设
15	wanglingling	海洋微生物病害的流行机制及其防控
16	liuyonghong	海洋微生物次生代谢与遗传网络实验室建设
17	xujian	海洋极端环境微生物网络实验室建设
18	xianghua	海洋极端环境微生物网络实验室建设
..		海洋极端环境微生物网络实验室建设

授权当前用户组

用户组名	海洋微生物研究中心(1.0001.0003)
用户组描述	南海海洋所
模块级角色	<input type="checkbox"/> 系统管理员 <input type="checkbox"/> 数据管理员 <input type="checkbox"/> Web Service用户

菌种数据库

总中心_菌种综合信息	页面
前台列表页面	默认前台列表页面
前台细览页面	默认前台细览页面
编辑列表页面	默认编辑列表页面
添加记录页面	默认添加记录页面
修改记录页面	默认修改记录页面

人员信息

实验室	主任	微生物资源管理员	数据管理员
海洋微生物研究中心	 <p>张德</p>	 <p>田新鹏</p>	 <p>董俊德</p>
海洋微生物次生代谢与遗传网络实验室	 <p>鞠建华</p>	 <p>王博</p>	 <p>王发左</p>
海洋极端环境微生物网络实验室	 <p>黄英</p>	 <p>宋磊</p>	 <p>戴欣</p>
海岸带微生物网络实验室			

显示当前实体

综合信息

 查询

综合信息 ▾

关键字...

全表检索

保藏中心	菌种保藏编号	拉丁名	中文名称	资源类型	
cgmcc	4.2062	<i>Streptosporangium amethystogenes subsp. fukuense</i>		细菌	详细
cgmcc	4.2063	<i>Streptosporangium carneum</i>	肉色链孢囊菌	细菌	详细
cgmcc	100003	<i>Streptosporangium fragile</i>		细菌	详细
cgmcc	4.2064	<i>Streptosporangium violaceochromogenes</i>	紫产色链孢囊菌	细菌	详细
cgmcc	4.2065	<i>Streptosporangium sibiricum</i>	西伯利亚链孢囊菌	细菌	详细
cgmcc	4.2066	<i>Streptosporangium viridialbum subsp. reducens</i>	绿白链孢囊菌还原亚种	细菌	详细
cgmcc	4.2067	<i>Streptosporangium longisporum</i>	长孢链孢囊菌	细菌	详细
cgmcc	4.2068	<i>Streptosporangium vulgare</i>	普通链孢囊菌	细菌	详细
cgmcc	4.2069	<i>Streptosporangium amethystogenes subsp. amethystogenes</i>	产紫晶链孢囊菌产紫晶亚种	细菌	详细
cgmcc	4.2070	<i>Streptosporangium album</i>	白色链孢囊菌	细菌	详细
cgmcc	4.2071	<i>Streptosporangium roseum</i>	玫瑰链孢囊菌	细菌	详细
cgmcc	4.2072	<i>Streptomyces avermitilis</i>	除虫链霉菌	细菌	详细

2010年6月10日 周四

RNAM 中国科学院应用微生物研究网络

Research Network for Applied Microbes, Chinese Academy of Sciences

[首页](#) [综合信息](#) [序列信息](#) [化学分子](#) [培养基](#) [文献信息](#) [目录信息](#) [数据管理](#) [注销](#)

目录信息

[古菌](#) [细菌](#) [蓝细菌](#) [真菌](#) [酵母菌](#) [放线菌](#) [藻类](#) [病毒](#) [细胞株](#) [种子](#) [组织器官](#) [质粒](#) [基因](#)

Pseudonocardia alni

RNAM Industry 00001

资源类型: 放线菌

是否已鉴定: 已鉴定

收藏时间:

采集号: 06E103

采集时间: 2006-09

采集区域:

采集地生境: 海底沉积物

海拔: 114

经度: 115.426°

纬度: 21.511°

保存方法: 甘油2管, 斜面1只, 冻干管3只 title

长度: 623/635 (98%)

Streptomyces carpaticus

RNAM Industry 00002

资源类型: 放线菌

是否已鉴定: 已鉴定

收藏时间:

采集号: 06E103

采集时间: 2006-09

采集区域:

采集地生境: 海底沉积物

Input of CGMCC current data

Streptosporangium violaceochromogenes

紫产色链孢霉菌

RNAM Industry 4.2064

资源类型：细菌

是否已鉴定：已鉴定

收藏时间：

来源历史：←河北大学←JCM 3281←KCC A-0281←ATCC 21807←Kyowa Hakko Kogyo Co., Ltd. MK-49

鉴定人：Kawamoto, I., Takasa

原始编号：100004

其他保藏中心编号：=JCM 3281=ATCC 21807 =DSM 43849 =IFO 15560 =IMSNU 22054 =KCTC 9439 =MTC 1523 =NBRC 15560 =NRRL B-16784

模式菌株：模式菌株

分离基物：土壤

采集国：日本

采集区域：

采集具体地点：Yoshioka, Gunma Pref.

危害程度：四类

致病对象：无

主要用途：研究;生产

具体用途：模式菌株；产抗生素vicinomycin, XK-49-1-B-2 (U.S. Pat. 3,922,343)

培养温度：28℃

保存方法：液氮超低温冻结法;真空冷冻干燥法 title

共享方式：合作研究共享

公开等级：已上目录

全细胞糖类型：no

细胞壁二氨基酸：meso-A2pm

主要醌成分：MK-9 (H2), MK-9 (III, V)

序列：gcaagtcgag cggaaaggcc tttcgggcta ctcgagcggc gaacgggtga gtaacacgtg agtaacctgc ccttcactct gggataagcc tgggaaaccg ggtctaatac cggatacgc acgt
tcccgc atggggctgc tgtggaaagt tttttcggtg ggggatggc tcggcgcta tcagcttgtt ggtgggtag tggcctacca agccgacgc ggttagccg cctgagaggg cgaccggcca cac
tgggact gagacacgc ccagactcct acgggaggca gcagtgggga atattggca atggggcgaa gctgacgca ggcacggcg gtgggggatg acggccttcg ggttgtaaac ctctttcagc ag
zcacaaag ctgactgta cctgcagaag aagcgcggc taactactg ccagcagcc cztaatac tazzccgaa gccttctcc zaattattz gcctaazag ctctagztc gccctccg t

菌种数据管理

- 综合信息
- 菌种信息
- 序列信息
- 化学分子信息
- 培养基
- 文献信息
- 图像信息
- 设备管理
- 文档管理
- 单位信息
- 信息录入员
- 目录信息
 - 古菌
 - 细菌
 - 真菌
 - 酵母菌

菌种信息

 查询

菌种信息

关键字...

全表检索

编号	中文名称	资源类型	共享方式	公开等级	备注
4. 3499	链霉菌	细菌	合作研究共享	已上目录	详细
4. 3401	链霉菌	细菌	公益性共享;资源纯交易性共享	已上目录	详细
4. 3289	链霉菌	细菌	合作研究共享;资源交换性共享	不上目录	详细
4. 3181	链霉菌	细菌	合作研究共享;资源交换性共享	不上目录	详细
4. 3072	链霉菌	细菌	合作研究共享;资源交换性共享	不上目录	详细
4. 3042	链霉菌	细菌	合作研究共享;资源交换性共享	不上目录	详细
4. 294	链霉菌	细菌	合作研究共享;资源交换性共享	不上目录	详细
4. 2822	链霉菌	细菌	合作研究共享;资源交换性共享	不上目录	详细

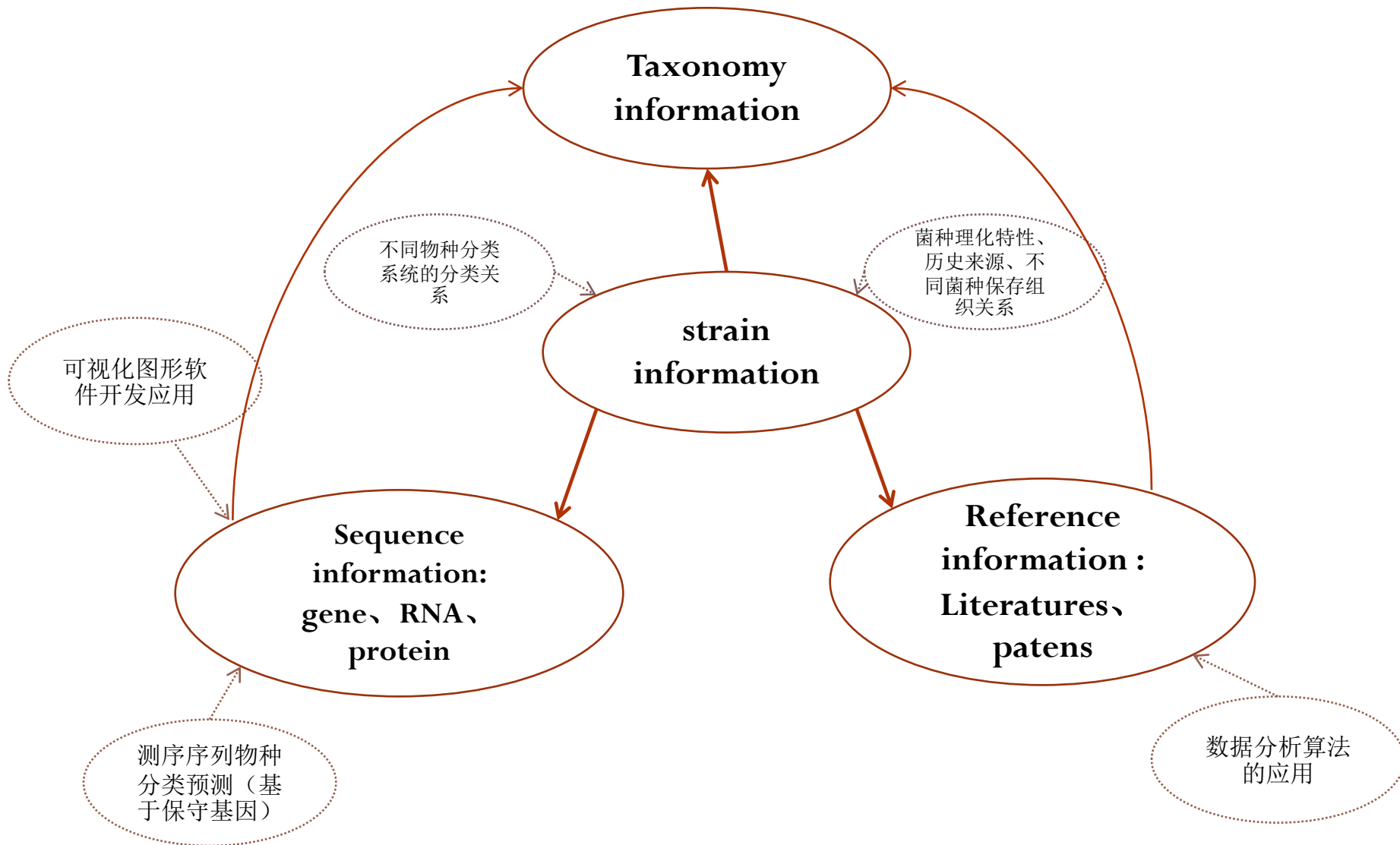
The Collections in CAS Institutes

Institute	Total	Bacteria	Fungi	Actinomyces	Others
微生物所	40977	8800/2000	18000/1000	6400/500	3777/500
沈阳应用生态所	11660	4560	3800	3300	
南京土壤所	94	27/32	23/12		
病毒所	106	105			1/0
过程工程所	76	46	18	1/	11/0
华南植物园	1203	2	70/1130		1/0
南京地理与湖泊所	733	150/350			35/198
海洋所	3274	754/133	160/650	50/1500	23/4
天津工业生物技术所	95	72/10	8/	5/	
合肥物质科学院	81	32/3	38/4	3/1	
生态环境中心	296	230/15	35/10		6/0
南海海洋所	13283	4245/3174	86/890	513/3981	134/260
西北高原生物所	219	18/12		165/24	
水生生物所	123				121/2
广州地球化学所	21	18/3			
中国科学技术大学	20	10/4	1/0		5/0
In total	72283	19076/5736	22247/3699	10437/6006	4118/964

Network Labs in CAS

研究所	Bacteria	Actinomyces	Fungi	Algae
武汉病毒所	1710			
海洋所	754	50	160	12
合肥物质科学院	32	3	38	
华南植物园	6	1	95	
南海海洋所	4245	509	82	132
南京土壤所	27	0	23	
南京地理与湖泊所	150			
青岛生物能源与过程所	129	1	155	12
上海有机化学所	20	30	2	1
上海植物生理生态所	1512	80		
沈阳应用生态所	431	40	68	
水生生物所				121
天津工业生物技术所	122	5	23	
西北高原生物所	18	165		
微生物所	581	3381	5891	

Structure of Microbial Resources System



GENOME VIEW

Search **View**

In this demo, only elements in beginning 60 KB are shown

Display length: 525709 Color theme: **Standard** CDS gene rRNA tRNA

from: 1

525710 600K 700K 800K 900K 1000K 1051419

1051419 1100K 1200K 1300K 1400K 1500K 1571286

1571286 1600K 1700K 1800K 1900K 2000K 2100K

2102837 2200K 2300K 2400K

2628546 2700K 2800K 2900K

Search **View**

In this demo, only elements in beginning 60 KB are shown

Display length: 525709 Color theme: **Standard** CDS gene rRNA tRNA

from: 1

653543-730669

653543 670K 680K 690K 700K 710K 720K 730669

NC_008600, 5257091 bp, *Bacillus thuringiensis* str. Al Hakam, complete genome.

CDS

gene

690777-692228

codon_start: 1
db_xref: GI:118476339
db_xref: GeneID:4546227
locus_tag: BALH_0595
product: sulfate transporter
protein_id: YP_893490.1
transl_table: 11

525710 600K 700K 800K 900K 1000K 1051419

1051419 1100K 1200K 1300K 1400K 1500K 1571286

1571286 1600K 1700K 1800K 1900K 2000K 2100K

2102837 2200K 2300K 2400K

2628546 2700K 2800K 2900K

Protein Sequences

Enter several protein sequences in *FastA* format

```
>np_607966 putative Salk homologue [Streptococcus pyogenes MGAS8232].
MIRIKNITKSKFFGTAIILLQQLIALLILVYNRENLSLLFSEKVALVMTLIDTAFIWLATILRQKQGDIFKR
IISIISLTIWQYLVSVLTRGTPLFLSSGLQIILLYCYTVEITNLILYGHKQFKDKLDKGLLIIFVVSITSLF
VNRILFNFLFLMVFTILHLYPLLIVLVLYRSFRQQISVVRRLILFSLLLLIVLGSSELYGEMLDVNQAFNNL
GWYLFPLIMSVIYFPTIHL
CLVVISCFYYLENSKQNF
```

Or enter filename:

```
np_665450: -----MTLIDTAFIWLATILRQKQGDIFKRIISIISLT
np_802908: MIRIKNITKSKFFGTAIILLQQLIALLILVYNRENLSLLFSEKVALVMTLIDTAFIWLATILRQKQGDIFKRIISIISLT
np_607966: MIRIKNITKSKFFGTAIILLQQLIALLILVYNRENLSLLFSEKVALVMTLIDTAFIWLATILRQKQGDIFKRIISIISLT

np_665450: IWQYLVSVLIRGTPLFLSSGLQIILLYCYTVEITNLILYGHKQFKDKLDKGLLIIFVVSITSLFVNRILFNFLFLMVFTI
np_802908: IWQYLVSVLIRGTPLFLSSGLQIILLYCYTVEITNLILYGHKQFKDKLDKGLLIIFVVSITSLFVNRILFNFLFLMVFTI
np_607966: IWQYLVSVLIRGTPLFLSSGLQIILLYCYTVEITNLILYGHKQFKDKLDKGLLIIFVVSITSLFVNRILFNFLFLMVFTI

np_665450: LHLYPLLIVLVLYRSFRQQISVVRRLILFSLLLLIVLGSSELYGEMLDVNQAFNNLGWYLFPLIMSVIYFPTIHLDKLSF
np_802908: LHLYPLLIVLVLYRSFRQQISVVRRLILFSLLLLIVLGSSELYGEMLDVNQAFNNLGWYLFPLIMSVIYFPTIHLDKLSF
np_607966: LHLYPLLIVLVLYRSFRQQISVVRRLILFSLLLLIVLGSSELYGEMLDVNQAFNNLGWYLFPLIMSVIYFPTIHLDKLSF

np_665450: VTQRWLGDYKARIELLFLLLILCWVVLKVLVKDFLLFFIIVDASTLFGLVVISCIFYYLENSKQNFQDYENRRNLNYFMKS
np_802908: VTQRWLGDYKARIELLFLLLILCWVVLKVLVKDFLLFFIIVDASTLFGLVVISCIFYYLENSKQNFQDYENRRNLNYFMKS
np_607966: VTQRWLGDYKARIELLFLLLILCWVVLKVLVKDFLLFFIIVDASTLFGLVVISCIFYYLENSKQNFQDYENRRNLNYFMKS

np_665450: EENMRVEFSNYLHDDVLQNI IAIKNLLSLENSNITRGFIVNELNDLVSGIREEIDTYHPIVPANQTMKENIQSLFDDIVK
np_802908: EENMRVEFSNYLHDDVLQNI IAIKNLLSLENSNITRGFIVNELNDLVSGIREEIDTYHPIVPANQTMKENIQSLFDDIVK
np_607966: EENMRVEFSNYLHDDVLQNI IAIKNLLSLENSNITRGFIVNELNDLVSGIREEIDTYHPIVPANQTMKENIQSLFDDIVK

np_665450: SRKSNTLLYFNCSDNMVVPSPYGDIVYRFIKELINNAIKYGDGKDIRLSLTIQSDIIIIIEESNQVVEKVHSISYGRGLKS
np_802908: SRKSNTLLYFNCSDNMVVPSPYGDIVYRFIKELINNAIKYGDGKDIRLSLTIQSDIIIIIEESNQVVEKVHSISYGRGLKS
np_607966: SRKSNTLLYFNCSDNMVVPSPYGDIVYRFIKELINNAIKYGDGKDIRLSLTIQSDIIIIIEESNQVVEKVHSISYGRGLKS

np_665450: FQETLAAFDDGDELQMDTKQFTIRILLPIDWKLCYEDFIN
np_802908: FQETLAAFDDGDELQMDTKQFTIRILLPIDWKLCYEDFIN
np_607966: FQETLAAFDDGDELQMDTKQFTIRILLPIDWKLCYEDFIN
```

专利数 (220)

Patents



Research Projects

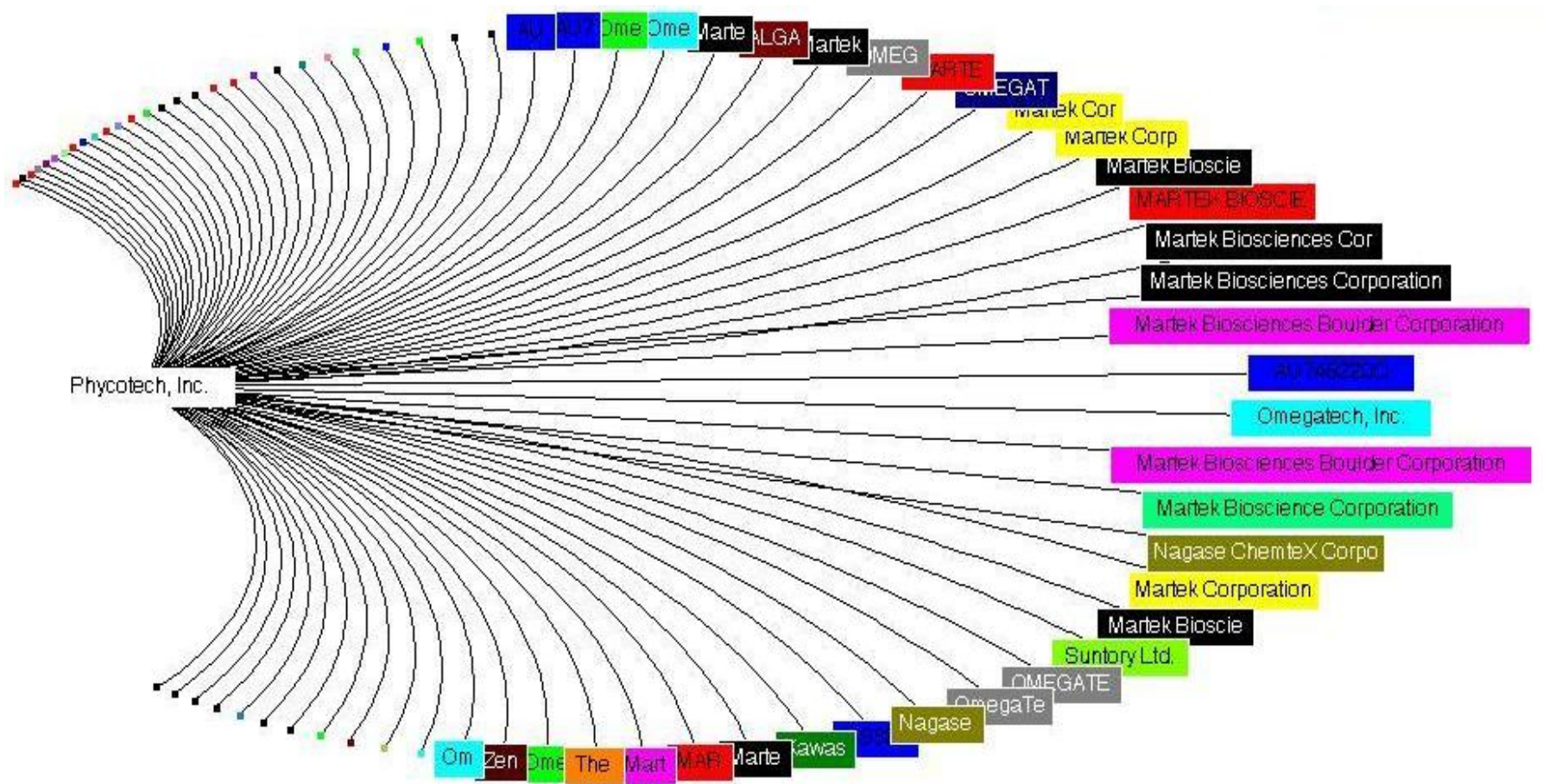


- 973项目
- 863项目
- 科技部其他项目
- 国家自然科学基金委员会项目
- 中科院项目
- 地方项目

Analysis of Papers and Patents

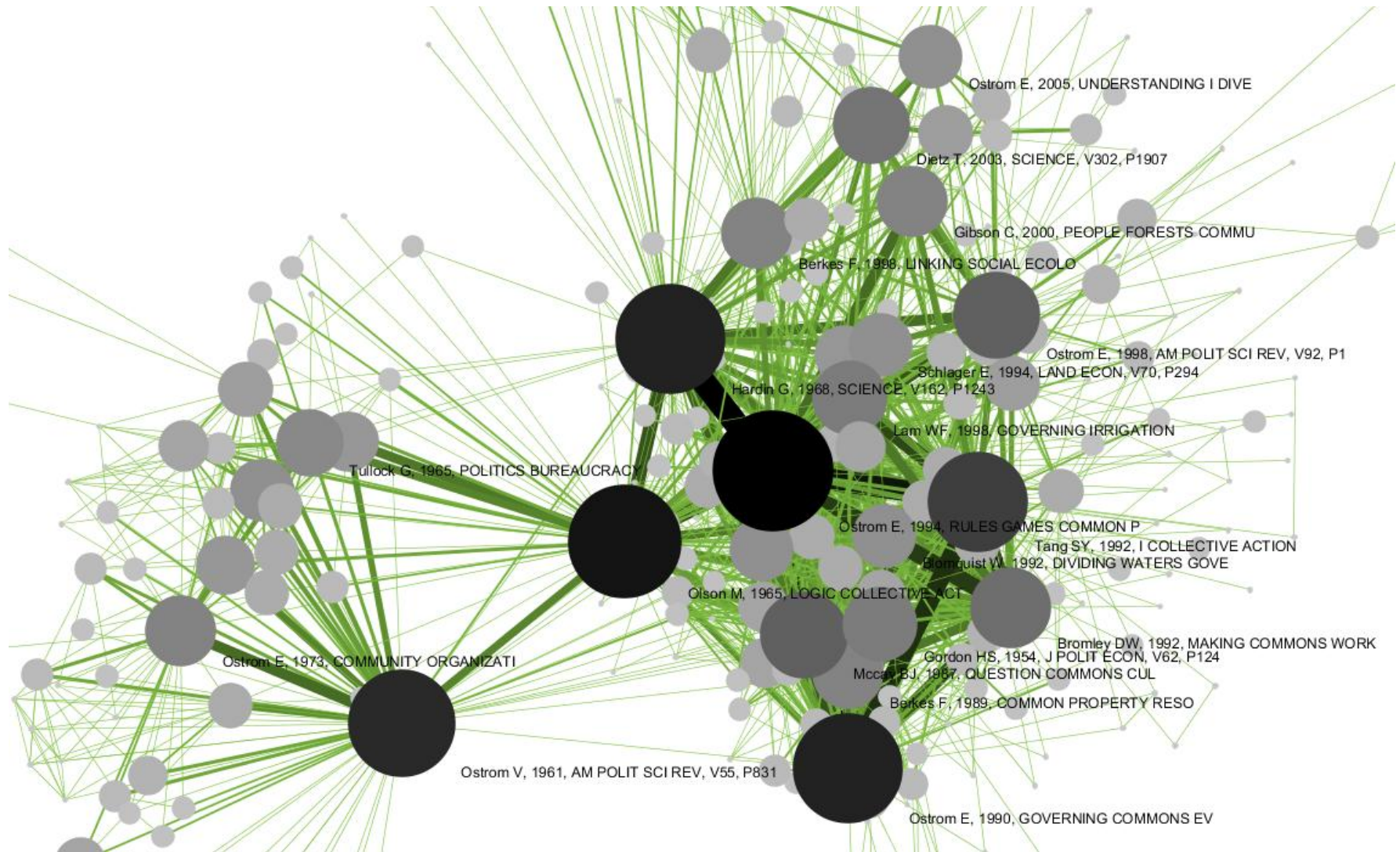
- Grasp international and domestic development
- Compare and analyze the strategic planning, research proposals and policy
- Study and forecast development tendency of basic research, product and marketing
- Back up the strategic planning, scientific research and development with policy and informational support
 - **Co-Authorship Network Based on SCI Publications**
 - **Co-Citation Network Based on SCI Publications**
 - **Co-Occurrence Topics Based on SCI Publications**
 - **Citation Tree Based on US Patent Applications**
 - **Research Landscape Based on US Patent Applications**

Visualization Analysis of Publications/ Patents



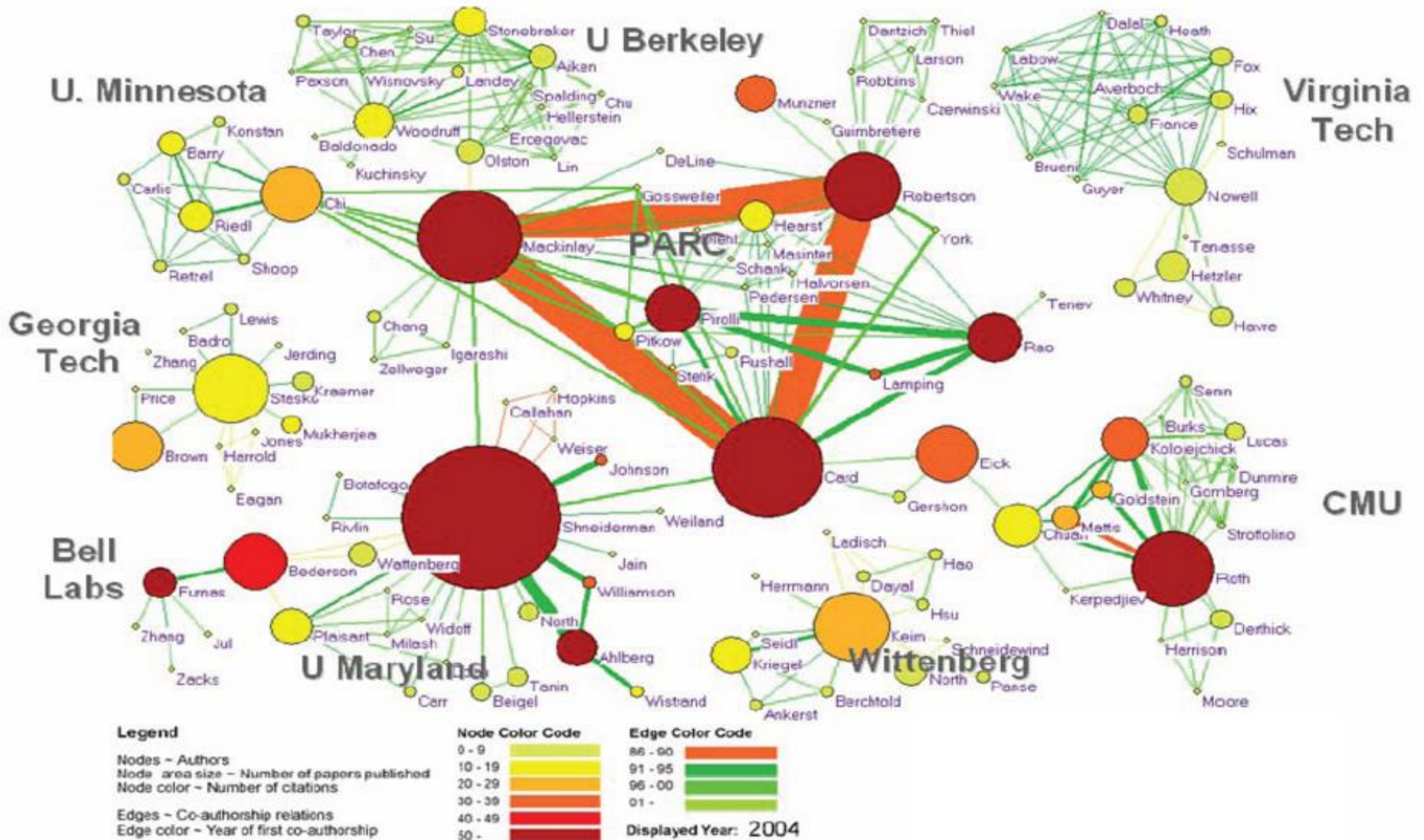
Citation Tree Based on US Patent Applications

Visualization Analysis of Publications/ Patents



Co-Citation Network Based on SCI Publications

Visualization Analysis of Publications/ Patents



Co-Authorship Network Based on SCI Publications

Visualization Analysis of Publications/ Patents



Research Landscape Based on International Patent Applications

中国科学院应用微生物研究网络 数据管理办法（草案）

第一章： **总则**。数据管理的目的和依据、工作内容、规约对象和范围；

第二章： **组织管理**。数据资源汇交各相关方的职责；

第三章： **数据汇交计划**。数据汇交方式和计划；

第四章： **数据汇交内容**。数据汇交的内容和格式；

第五章： **数据汇交流程**。各关键环节的节点及其内容；

第六章： **数据质量控制**。对提交数据的质量进行规范和要求

第七章： **数据管理与共享**。数据分类、用户分级及数据管理的安全和服务等；

第八章： **数据知识产权**。各方的权利和义务以及知识产权保护；

第九章： **附则**。



登陆

网站首页

项目简介

研究领域

组织结构

数据资源

数据论文

联系我们

新闻中心

MORE

- 中科院应用微生物研究网络农业微生物研究中心...
- 中国科学院应用微生物研究网络——环境微生物...
- 应用微生物研究网络总中心工业微生物研究中心...
- 中国科学院工业微生物研究中心(北方)启动会...
- 中国科学院应用微生物研究网络(RNAM)总...
- 应用微生物研究网络环境微生物中心(成都)正式启动
- 中科院海洋微生物中心建设启动暨网络实验室论...



通知公告

MORE

2010科技期刊数字出版与版权保...

招聘信息

MORE

- 天津工生所工业微生物研究中心(北方...
- 微生物所病原微生物与免疫学重点实验...
- 微生物所真菌地衣系统学重点实验室招聘启事

总中心

- 微生物资源收集整理及共性技术平台建设
- 微生物资源中心
- 信息中心
- 微生物网络中心
- 筛选平台

行业资讯

MORE

- 微生物发电 2010年08月13日
- 大连清油污首次大规模微生物“吃油” 2010年08月05日
- 海洋微生物次生代谢的生理生态效应及其生物合成机制研究取得进展 2010年08月02日
- 微生物农药开发被寄予厚望 2010年07月27日
- 食用醋可造氢气 微生物燃料电池新发展 2010年07月22日
- 2010年国际嗜盐微生物大会在京举行 2010年07月08日

工业微生物研究中心(北方)

- 能源微生物网络实验室
- 食品微生物网络实验室
- 材料微生物网络实验室
- 生物活性物质网络实验室

工业微生物研究中心(南方)

- 生物燃料网络实验室
- 次生代谢产物网络实验室
- 食品微生物网络实验室

数据资源

MORE

- 植物病原与应用微生物网络实验室
- 微生物基础数据库
- 国际镜像数据库
- 网站资源
- 微生物基因组
- 微生物基础数据库
- 国际镜像数据库
- 网站资源

环境微生物研究中心(北方)

- 水生微生物基因组网络实验室
- 污染物降解与生物修复网络实验室

环境微生物研究中心(南方)

- 生物强化废水处理及资源化网络实验室
- 污染环境生物修复中的微生物学机理与技术网络实验室

**Asian Consortium for the
Conservation and
Sustainable use of
Microbial Resources
(ACM)**

Member countries of ACM



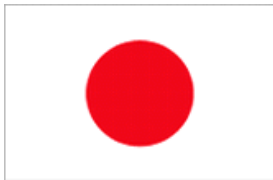
Cambodia



China



Indonesia



Japan



Korea



Laos



Malaysia



Mongolia



Myanmar



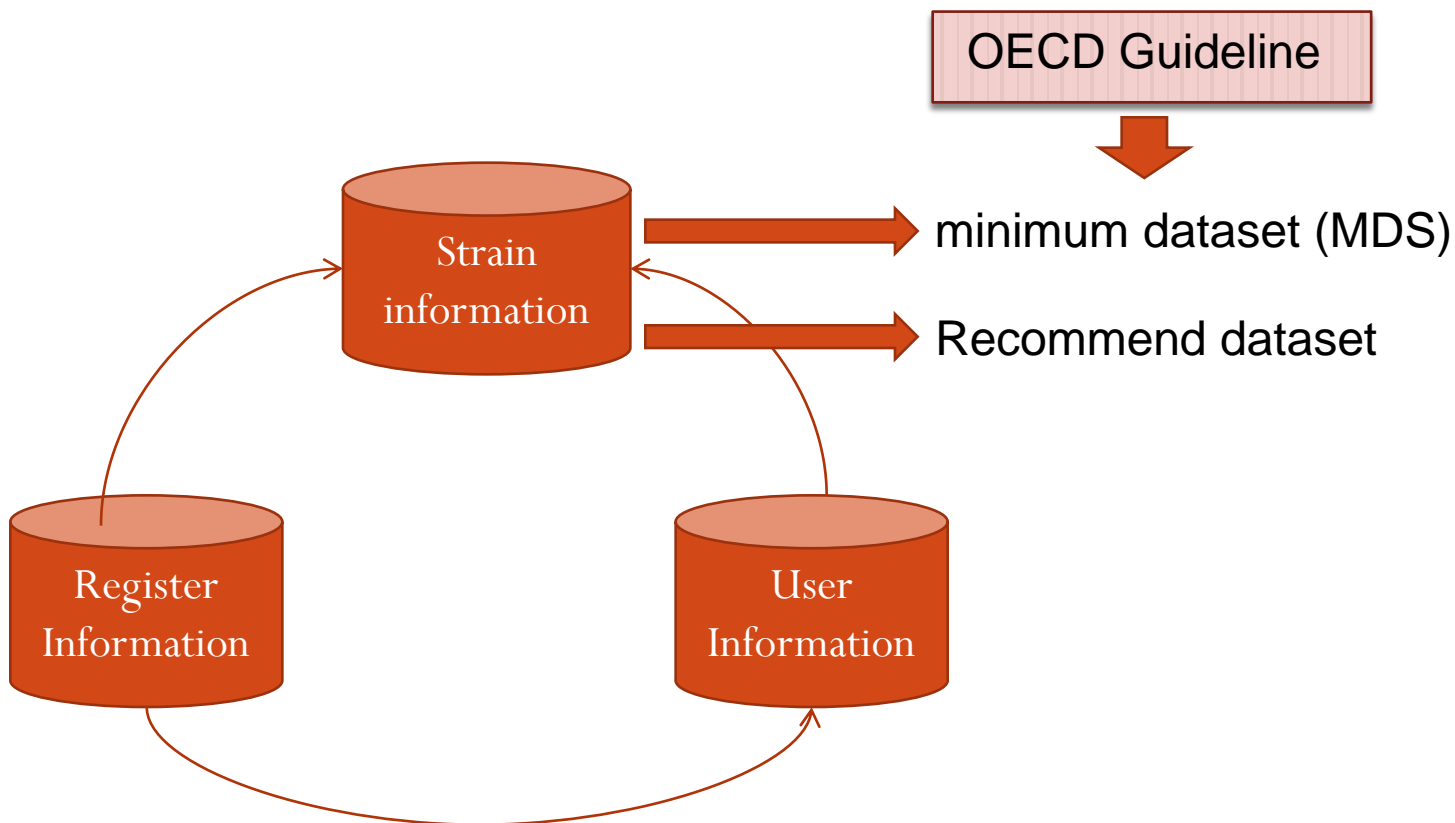
Philippines



Thailand



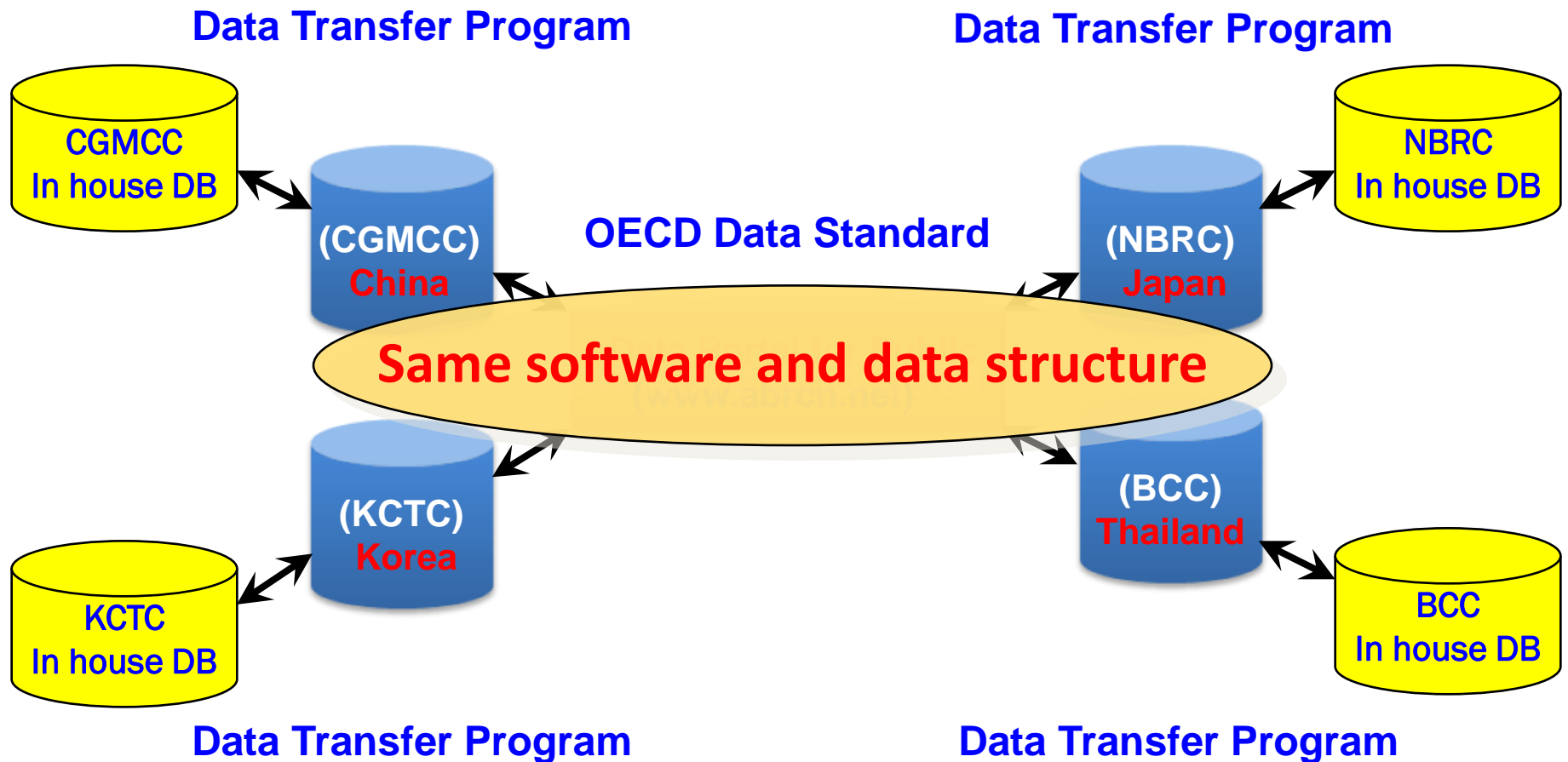
Vietnam



CGMCC(China)(9958) ▶	China General Microbiological Culture Collection Center
NBRC(Japan)(13113) ▶	NITE Biological Resource Center
KCTC(Korea)(5466) ▶	Korean Collection for Type Cultures
BCC(Thailand)(1088) ▶	BIOTEC Culture Collection
PNCM(Pilipinas)(1009) ▶	Philippine National Collection of Microorganisms
UL(Pilipinas)(1547) ▶	The UNILAB Clinical Culture Collection
MCC-MNH(Pilipinas)(641)	Microbial Culture Collection - Museum of Natural History

Prototype of Asian BRC Network

The Network Task Force is headed by Dr. Ken-Ichiro SUZUKI



The Network for Asian Biological Resource Centers

Strain number: CGMCC NBRC KCTC BCC

Genus Name:

Species epithet:

Other collection numbers:

Status: Type strain Reference strain

History:

Organism Type: All Archaeon Bacterium Fungus Yeast Alga
 Virus Plasmid

Database List: CGMCC(China): NBRC(Japan): KCTC(Korea): BCC(Thailand):
 PNCM(Pilipinas): UL(Pilipinas): MCC-MNH(Pilipinas):

[Advanced search](#) [Administration](#)

participant organizations:

China General Microbiological Culture Collection Center(CGMCC)
NITE Biological Resource Center(NBRC)
Korean Collection for Type, Cultures (KCTC)
BIOTEC Culture Collection (BCC)
The UNILAB Clinical Culture Collectioni (UL)
Philippine National Collection of Microorganisms (PNCM)
Microbial Culture Collection - Museum of Natural History (MCC-MNH)

CGMCC(China)(9958) ▾

ID	Strain number	Genus Name	Species epithet	History
1	cgmmc 1.2904	Zymobacter	palmae	<-DSMZ DSM 10491
2	cgmmc 2.1915	Zygosaccharomyces	rouxii	<-IFFI IFFI 1712
3	cgmmc 2.1914	Zygosaccharomyces	rouxii	<-IFFI IFFI 1711
4	cgmmc 2.1913	Zygosaccharomyces	rouxii	<-IFFI IFFI 1710
5	cgmmc 2.1912	Zygosaccharomyces	rouxii	<-IFFI IFFI 1709
6	cgmmc 2.1911	Zygosaccharomyces	rouxii	<-IFFI IFFI 1708
7	cgmmc 2.1522	Zygosaccharomyces	rouxii	<-Japan S-96
8	cgmmc 2.1521	Zygosaccharomyces	rouxii	<-Japan S-9
9	cgmmc 2.1529	Zygosaccharomyces	bisporus	<-BCRC(Taiwan) CCRC 21725
10	cgmmc 2.1452	Zygosaccharomyces	ballii	<-AKU AKU 4129

First Prev Next Last

NBRC(Japan)(13113) ▾

ID	Strain number	Genus Name	Species epithet	History
1	NBRC 101873	Sphingomonas	sp.	NITE <- Kyowa Hakko Kogyo Co., Ltd. (AE6)
2	NBRC 101872	Rhodanobacter	sp.	NITE <- Kyowa Hakko Kogyo Co., Ltd. (YW2-3)
3	NBRC 101871	Rhizobium	sp.	NITE <- Kyowa Hakko Kogyo Co., Ltd. (AE15)
4	NBRC 101870	Rhizobium	sp.	NITE <- Kyowa Hakko Kogyo Co., Ltd. (AE9)
5	NBRC 101869	Bacillus	sp.	NITE (T. Iino, Kis24-6)
6	NBRC 101853	Cryptococcus	pseudolongus	NBRC (T. Sakamoto, S04-01-02)
7	NBRC 101852	Guehomyces	pullulans	NBRC (T. Sakamoto, S04-06-05)
8	NBRC 101851	Guehomyces	pullulans	NBRC (T. Sakamoto, S04-04-07)
9	NBRC 101850	Trichosporon	porosum	NBRC (T. Sakamoto, S04-06-10)
10	NBRC 101849	Trichosporon	porosum	NBRC (T. Sakamoto, S04-01-02)

KCTC(Korea)(5394) ▾

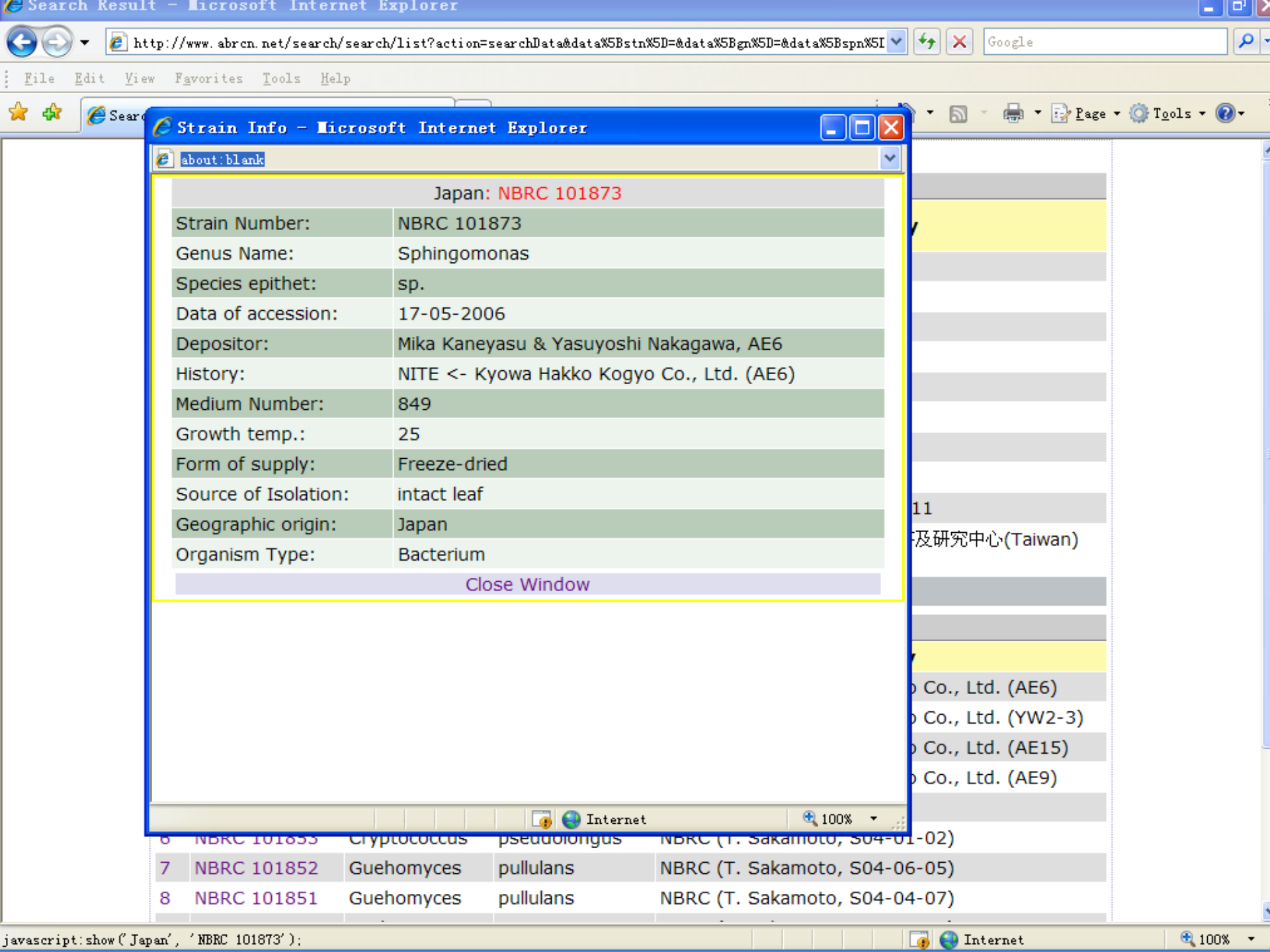
ID	Strain number	Genus Name	Species epithet	History
1	KCTC 17647	Bulleribasidium	oberjochense	<- CBS
2	KCTC 17654	Candida	friedrichii	< - NCAIM
3	KCTC 17649	Ogataea	falcaomoraisii	< - CBS
4	KCTC 17652	Starmerella	bombicola	<- CBS
5	KCTC 17646	Ascobotryozyma	americana	<- CBS
6	KCTC 17645	Ascobotryozyma	cognata	<- CBS
7	KCTC 17644	Botryzoma	mucatilis	
8	KCTC 17648	Occultifur	externus	<- CBS
9	KCTC 17650	Papiliotrema	bandonii	<- CBS
10	KCTC 17651	Starmerella	meliponinorum	<- CBS

First Prev Next Last

BCC(Thailand)(1088) ▾

ID	Strain number	Genus Name	Species epithet	History
1	BCC 18357	Penicillium	sp.	<---- J.J. Luangsa-ard, TR00189
2	BCC 18354	Penicillium	sp.	<---- J.J. Luangsa-ard, TR00152
3	BCC 18353	Penicillium	sp.	<---- J.J. Luangsa-ard, TR00151
4	BCC 18349	Penicillium	sp.	<---- J.J. Luangsa-ard, TR00147
5	BCC 18347	Penicillium	sp.	<---- J.J. Luangsa-ard, TR00091
6	BCC 18340	Penicillium	sp.	<---- J.J. Luangsa-ard, TR00233
7	BCC 18339	Penicillium	sp.	<---- J.J. Luangsa-ard, TR00232
8	BCC 18336	Penicillium	sp.	<---- J.J. Luangsa-ard, TR00229
9	BCC 18331	Penicillium	sp.	<---- J.J. Luangsa-ard, TR00222
10	BCC 18329	Paecilomyces	sp.	<---- J.J. Luangsa-ard, TR00220

First Prev Next Last



Strain Info - Microsoft Internet Explorer

Japan: NBRC 101873	
Strain Number:	NBRC 101873
Genus Name:	Sphingomonas
Species epithet:	sp.
Data of accession:	17-05-2006
Depositor:	Mika Kaneyasu & Yasuyoshi Nakagawa, AE6
History:	NITE <- Kyowa Hakko Kogyo Co., Ltd. (AE6)
Medium Number:	849
Growth temp.:	25
Form of supply:	Freeze-dried
Source of Isolation:	intact leaf
Geographic origin:	Japan
Organism Type:	Bacterium
Close Window	

6	NBRC 101853	Cryptococcus	pseudoterngus	NBRC (T. Sakamoto, S04-01-02)
7	NBRC 101852	Guehomyces	pullulans	NBRC (T. Sakamoto, S04-06-05)
8	NBRC 101851	Guehomyces	pullulans	NBRC (T. Sakamoto, S04-04-07)

Asian Catalogue of Cultures

first 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 end go to: (17390)

Absidia atropora 2002

NBRC 9471
[Original Site](#)
Accession: 2002 IFO 9471 <- Hiroshima
Jogakuin College (H. Naganishi)
Reference: 2423
Cultivation: medium 1, 25

NBRC 4427
[Original Site](#)
Accession: 2002 IFO 4427 <- FAT <- CLMR <-
CBS
Cultivation: medium 1, 25

Absidia coerulea Bainier

AS 3.2458
[Original Site](#)
Accession: ←SIOC ← Czechoslovakia
Cultivation: medium , 25

NBRC 4435
[Original Site](#)
Accession: 2002 IFO 4435 <- HUT <- CLMR <-
CBS <- A.F. Blakeslee
Application: Gallic acid: production from
tannins
Cultivation: medium 1, 25

AS 3.2459
[Original Site](#)
Accession: ←SIOC ← Czechoslovakia
Cultivation: medium , 25

NBRC 5301
[Original Site](#)
Accession: 2002 IFO 5301 <- NI 1009 <- CBS
= BCRC 30897 ; JCM 5600
Cultivation: medium 1, 25

AS 3.2462
[Original Site](#)
Accession: ←DM, IMAS 5224b
Cultivation: medium , 25

NBRC 5302
[Original Site](#)
Accession: 2002 IFO 5302 <- NI 1010 <- CBS
= JCM 5601
Cultivation: medium 1, 25

AS 3.2703
[Original Site](#)
Accession: ←DM, IMAS 6365
Cultivation: medium , 25

Absidia corymbifera (Cohn) Saccardo et Trotter

AS 3.3382
[Original Site](#)
Accession: ←DM, IMAS No.6344
Source: The strain isolated from soil, Nanjing,
China
Cultivation: medium , 25

AS 3.2461
[Original Site](#)
Accession: ←DM, IMAS 134
= *Absidia lichtheimi*
Cultivation: medium , 25

AS 3.3389
[Original Site](#)
Accession: ←DM, IMAS 5225a
Source: The strain isolated from alkaline soil,
Anda, Jilin, China
Cultivation: medium , 25

AS 3.2501
[Original Site](#)
Accession: ←DM, IMAS 4820
= *Absidia lichtheimi*
Cultivation: medium , 25

AS 3.3538
[Original Site](#)
Accession: ←DM, IMAS M038-N001
Source: The strain isolated from maize field
soil, Beijing
Cultivation: medium , 25

AS 3.27
[Original Site](#)
Accession: ←GSRICI 27
= *Absidia lichtheimi*
Source: The strain isolated from koji, Qindao,
China
Cultivation: medium , 25

AS 3.55
[Original Site](#)
Accession: ←SRID M2

AS 3.2705
[Original Site](#)
Accession: ←DM, IMAS 6358
= *Absidia lichtheimi*
Cultivation: medium , 25

The Network for Asian Biological Resource Centers



Institute of Microbiology, Chinese Academy of Sciences BioResources database management system

List	Add	Search	Stats	Users	Add User	Tools ▾	Help	Logout
Data List (9958)								
first 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 last go to: <input type="text"/>								
Strain Number ▾	Genus Name	Species epithet	Source of Isolation	Manage				
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.985	Trametes	hirsuta	阔叶腐木	Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.965	Daedalea	dickinsii		Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.914	Piptoporus	betulinus		Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.853	Agaricus	blazei		Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.852	Agaricus	blazei		Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.7617	Fomitopsis	pinicola		Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.1000	Trametes	hirsuta	栋	Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.0998	Trametes	hirsuta	腐木	Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.0996	Trametes	versicolor		Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.0992	Trametes	versicolor	腐木	Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.0988	Trametes	versicolor	杉倒木	Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.0987	Trametes	versicolor	腐木	Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.0972	Trametes	pubescens		Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.0969	Trametes	versicolor	阔死桩	Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.0966	Trametes	versicolor	针腐	Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.0960	Trametes	versicolor		Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.0949	Trametes	versicolor	桦腐木	Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.0947	Trametes	versicolor	杉倒木	Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.0946	Trametes	hirsuta	腐木	Edit	Del	Copy		
<input type="checkbox"/> cgmcc 5.0943	Trametes	hirsuta		Edit	Del	Copy		
<input type="button" value="Delete selected data"/>								

List Add

Strain number: >

Genus Name:

Species epithet:

Data of accessio

Depositor:

Other collection

Restrictions:

Status:

History:

Medium Number:

Growth temp.:

List Add

XML File:

stn	Strain number
gn	Genus Name
spn	Species epithet
doa	Data of accession
depositor	depositor
occn	Other collection numbers
rest	Restrictions
stat	Status
his	History
mn	Medium Number
tem	Growth temp.
light	LIGHT
gas	GAS
other	Other growth condition
supply	Form of supply
source	Source of Isolation
goc	Geographic country
goc	Geographic region
org	Organism Type
othname	Other names
svvar	Serovar
mut	Mutant
genot	Genotype
host	Substrate or host
litn	Literature

Transfer your in-house data into ABRCN:

- XML
- Text file(fields are separated by tab key)
- MySQL
- Oracle
- SQL

Tel: +8

Institute of Microbiology, Chinese Academy of Sciences BioResources database management system

[List](#) [Add](#) [Search](#) [Stats](#) [Users](#) [Add User](#) [Tools](#) [Help](#) [Logout](#)

Register Infomaction

Institute name:

Institute code:

Contact person:

Email:

Address 1:

Address 2:

Phone:

Fax:

If network connect, the data will be send to the BRC network.

Bei yi tiao No.13

Zhong Guan Cun Beijing, 100080 P.R. China

Tel:+86-10-62542758 Fax:+86-10-62542758 Email:Mr. Yuguang ZHOU<zhouyg@sun.im.ac.cn>

2006 Ver:1.0 Documentation

<http://www.abrcn.net/cgmcc>

Institute of Microbiology, Chinese Academy of Sciences

Strain number:	<input type="text"/>
Genus Name:	<input type="text"/>
Species epithet:	<input type="text"/>
Other collection numbers:	<input type="text"/>
Status:	<input checked="" type="radio"/> Type strain <input type="radio"/> Reference strain
History:	<input type="text"/>
Organism Type:	<input checked="" type="radio"/> All <input type="radio"/> Archaeon <input type="radio"/> Bacterium <input type="radio"/> Fungus <input type="radio"/> Yeast <input type="radio"/> Alga <input type="radio"/> Virus <input type="radio"/> Plasmid
<input type="button" value="Search"/> <input type="button" value="Reset"/> Advanced search Administration Abrcn.net	

**Institute of Microbiology, Chinese Academy of Sciences
BioResources database management system**

List	Add	Search	Stats	Users	Add User	Tools ▾	Help	Logout
----------------------	---------------------	------------------------	-----------------------	-----------------------	--------------------------	-------------------------	----------------------	------------------------

Exported files

Name	Time	Size	Manage
1e03b545262fd451a81ab88505e1fa78.xml	2009-10-20 15:17:50	4172266	Download Delete
2677fb896c51b7da6f297fda30791f00.csv	2008-11-03 15:33:25	1409089	Download Delete
57228683e1353199a2adc34adeca225c.txt	2008-11-03 15:32:23	2672460	Download Delete

Data List::Export Data

<input checked="" type="checkbox"/> Strain number	<input checked="" type="checkbox"/> Genus Name	<input checked="" type="checkbox"/> Species epithet
<input checked="" type="checkbox"/> Data of accession	<input checked="" type="checkbox"/> depositor	<input checked="" type="checkbox"/> Other collection numbers
<input checked="" type="checkbox"/> Restrictions	<input checked="" type="checkbox"/> Status	<input checked="" type="checkbox"/> History
<input checked="" type="checkbox"/> Medium Number	<input checked="" type="checkbox"/> Growth temp.	<input checked="" type="checkbox"/> LIGHT
<input checked="" type="checkbox"/> GAS	<input checked="" type="checkbox"/> Other growth condition	<input checked="" type="checkbox"/> Form of supply
<input checked="" type="checkbox"/> Source of Isolation	<input checked="" type="checkbox"/> Geographic country	<input checked="" type="checkbox"/> Geographic origin
<input checked="" type="checkbox"/> Organism Type	<input type="checkbox"/> Other names	<input type="checkbox"/> Serovar
<input type="checkbox"/> Mutant	<input type="checkbox"/> Genotype	<input type="checkbox"/> Substrate or host
<input type="checkbox"/> Literature	<input type="checkbox"/> Applications	<input type="checkbox"/> Sequence
<input type="checkbox"/> Species code		

Format: Excel csv (With excel head column) Txt Sql Xml

Order by: ▾ ASC DESC

Number: (-1 means export all, if you want to export 100, please input 100)

Sharing, Cooperation and Development

Cambodia

Please select a Country :



ABRCN has objectives:

Establish a network of biological resource including living organisms, parts thereof (e.g. nucleic acids, probes etc.) and associated...



ABRCN Members

Advanced Biotechnology Center, Genova, Italy, Belgian Co-ordinated Collections of Microorganisms, Brussel, Belgium



ABRCN at the ACM

Framework for international cooperation to encourage microbiological researches Development of microbial resources ... more<<



Welcome to
Asian Biological Resource Center Network
www.abrcn.net

Cambodia

Please select a Country :



ABRCN has objectives:

Establish a network of biological resource including living organisms, parts thereof (e.g. nucleic acids, probes etc.) and associated...



ABRCN Members

Advanced Biotechnology Center, Genova, Italy, Belgian Co-ordinated Collections of Microorganisms, Brussel, Belgium



ABRCN at the ACM






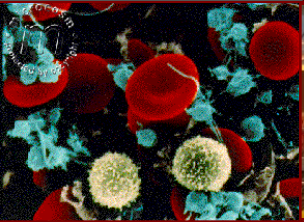

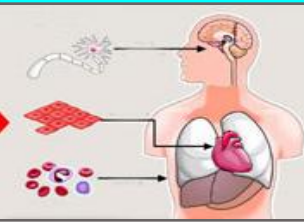
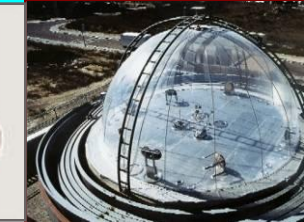
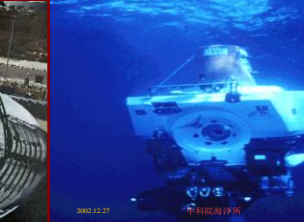
Framework for international cooperation to encourage microbiological researches Development of microbial resources ... more<<



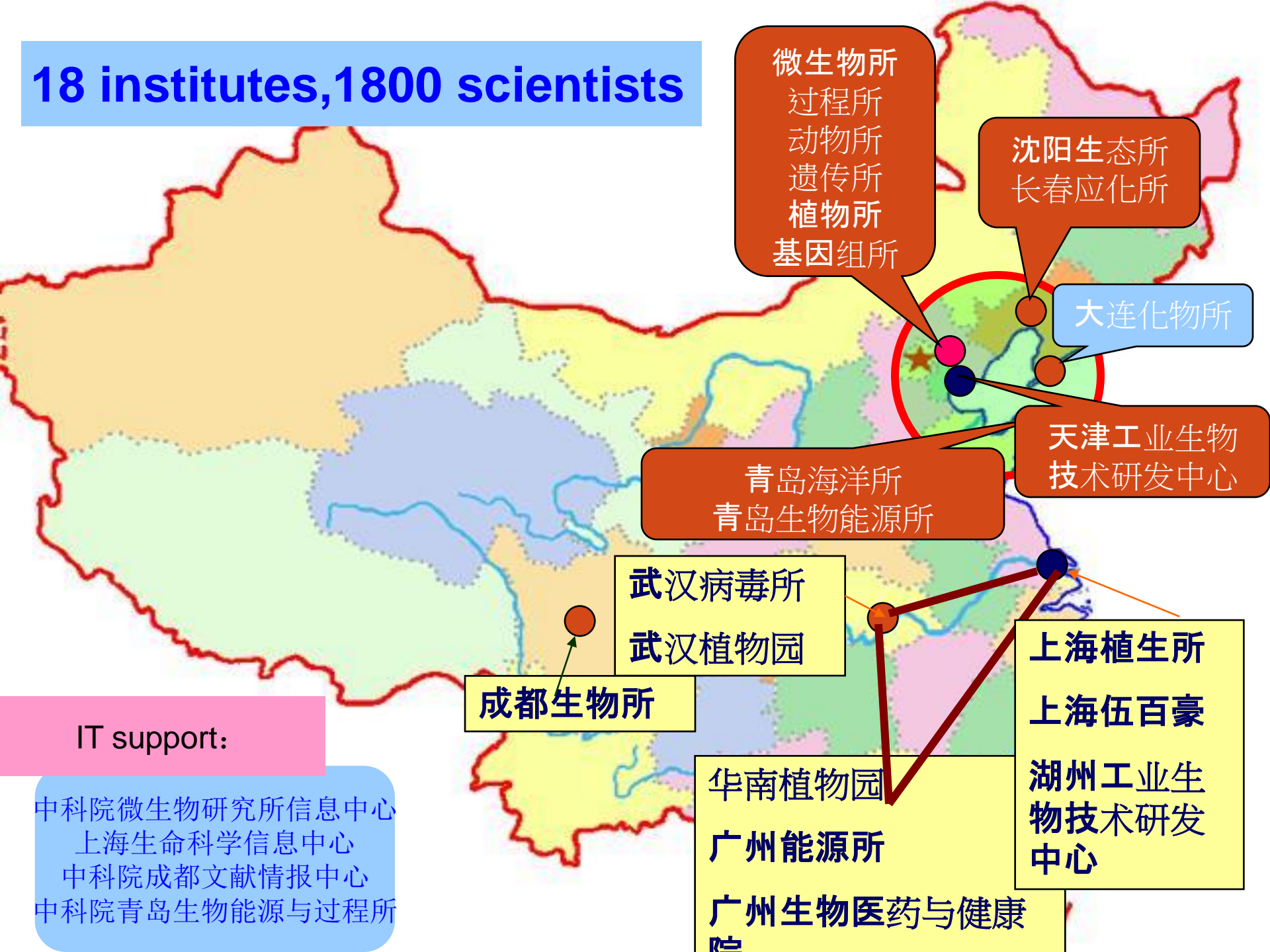
Biotechnology Field

CAS S & T Innovation Bases: '1+10'

Frontier of interdisciplinary and important sciences

Information technology	Space science technology	Advanced energy technology	Nanotechnology, Advanced manufacturing & new materials	Large scale Facilities
				
Advanced industrial biotechnology	Modern agricultural technology	Health and medicine	Ecology and environmental technology	Resources and marine science & technology
				

18 institutes, 1800 scientists

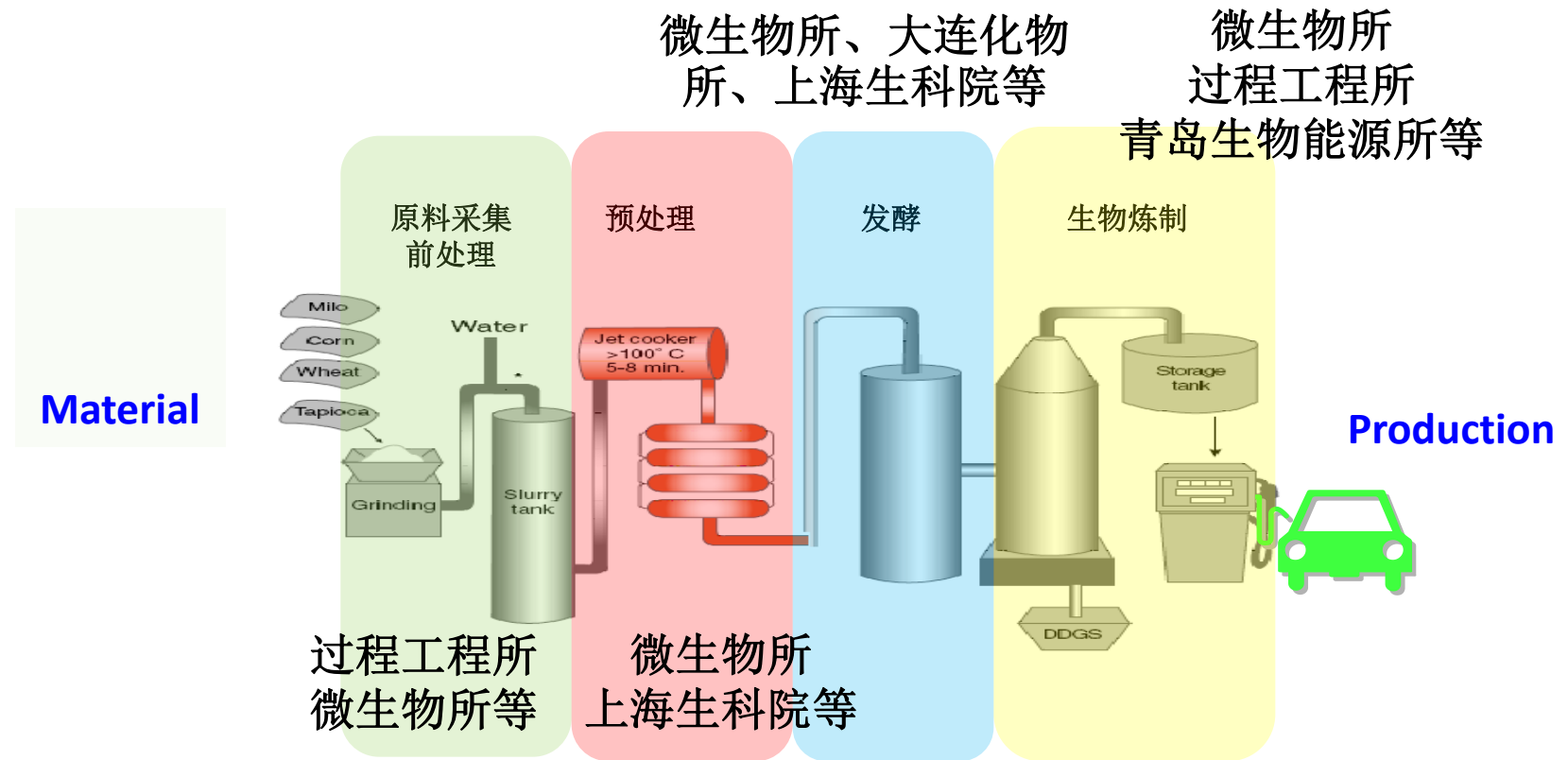


IT support:

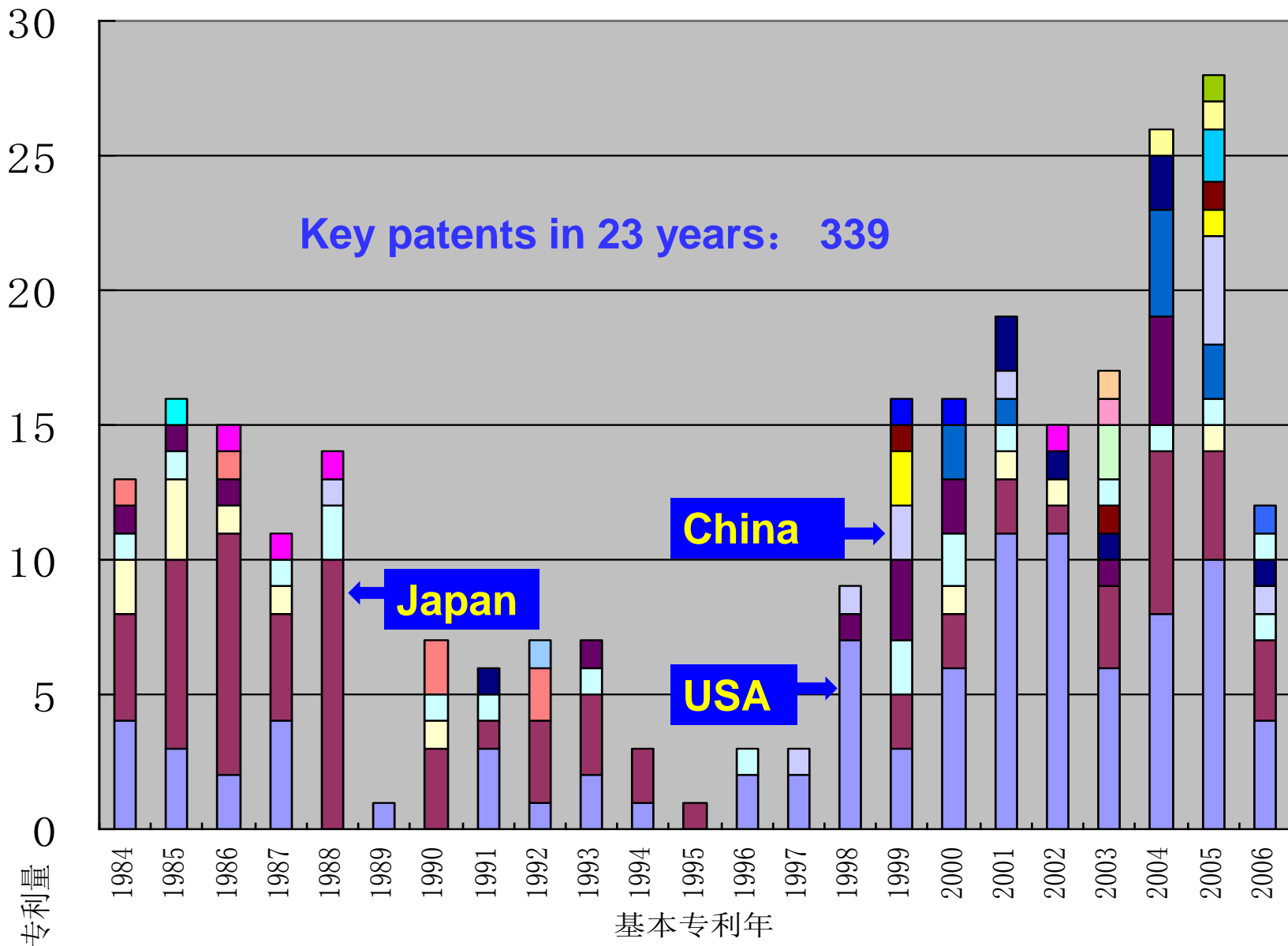
- 中科院微生物研究所信息中心
- 上海生命科学信息中心
- 中科院成都文献情报中心
- 中科院青岛生物能源与过程所

CAS Cellulosic Ethanol Key Project

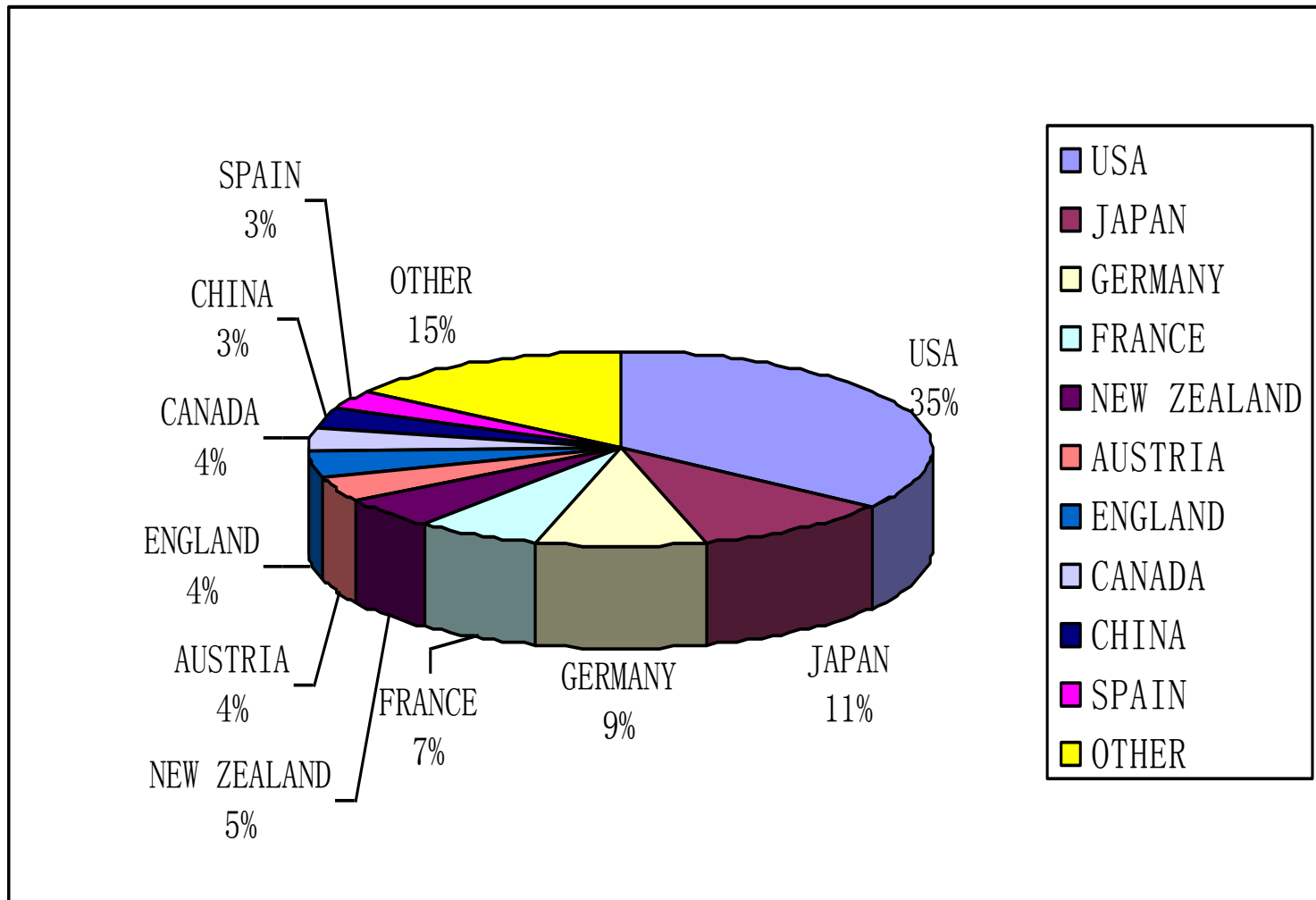
From 2007



Patents Worldwide from 1984-2006



Papers worldwide from 1963-2006



Key papers in 44 years: 489

Papers and Patents in the world and in China

排名	研究机构	国家	发文量
1	兰德大学	瑞典	52
2	维戈大学	西班牙	41
3	美国农业部农业研究服务署	美国	35
4	埃及国家研究中心	埃及	34
5	丹麦科技大学	丹麦	31
6	西班牙国家研究理事会	西班牙	29
6	英属哥伦比亚大学	加拿大	29
8	中国科学院	中国	26
8	国家可再生能源实验室	美国	26

排名	研究机构	发文量
1	中国科学院	26
2	中国科技大学	8
3	中国农业大学	7
3	华南理工大学	7
3	清华大学	7
6	湖南大学	6
6	天津大学	6
8	华东理工大学	5
8	华中农业大学	5
8	山东大学	5
8	同济大学	5
8	武汉化工研究所	5

Stratagem Research Report

编者按

1 概述	1	3.4.3 菌株筛选及改造技术	26
1.1 发展纤维素燃料乙醇的意义	1	3.4.4 主要研究机构和企业	31
1.2 生物炼制的定义	1	3.4.5 关键期刊文献与专利文献	33
1.3 纤维素燃料乙醇生物炼制的技术特点	2	3.5 纤维素乙醇发酵工艺	36
1.3.1 纤维素预处理要求较高	2	3.5.1 技术概括	36
1.3.2 需利用产酶微生物生产纤维素酶	2	3.5.2 同步糖化发酵法生产乙醇	37
1.3.3 需要设计新型乙醇发酵菌参与发酵	2	3.5.3 预处理物的毕赤酵母发酵	39
2 政策与规划	4	3.5.4 戊糖发酵制取乙醇	40
2.1 中国	4	3.5.5 发明专利分析	45
2.1.1 主要政策与规划	4	3.5.6 纤维素乙醇中试示范装置现状	49
2.1.2 重要研究项目	5	3.5.7 主要研究机构和企业	50
2.2 美国	6	3.5.8 关键专利文献与期刊文献	52
2.2.1 政策与规划	6	4 关键技术发展展望	57
2.2.2 重要研究开发项目	7	4.1 关键技术与工艺的突破	57
2.3 欧盟及其成员国	11	4.2 成本评估	57
2.3.1 主要政策	11	4.3 市场需求	58
2.3.2 主要规划	12	参考文献	59
2.3.3 欧盟成员国	13	附录 案例研究	66
2.4 巴西	13	案例一 木质纤维素预处理过程与优化研究的引证树分析	66
2.4.1 主要规划	13	案例二 五碳糖和六碳糖的共代谢改造的引用树分析	69
2.4.2 开发项目	13	案例三 新型木质纤维素降解酶系的引证树分析	80
3 纤维素乙醇生物炼制关键技术发展现状	14	案例四 纤维素乙醇发酵过程优化与控制研究的引证树分析	84
3.1 纤维素乙醇制取技术概貌	14		
3.2 纤维素生物质原料的供应	14		
3.2.1 种类	14		
3.2.2 生产新技术	15		
3.2.3 主要企业和研究机构	16		
3.3 纤维素生物质原料的预处理	18		
3.3.1 纤维原料的碱预处理	18		
3.3.2 纤维原料的酸预处理技术	21		
3.4 纤维素乙醇生物转化技术	23		
3.4.1 转化技术	23		
3.4.2 主要菌株	25		

Policy & Plan

Futures

Key technology

按照工艺流程排列数据表

请首先录入工业企业（实验室）信息

1 秸秆收集阶段

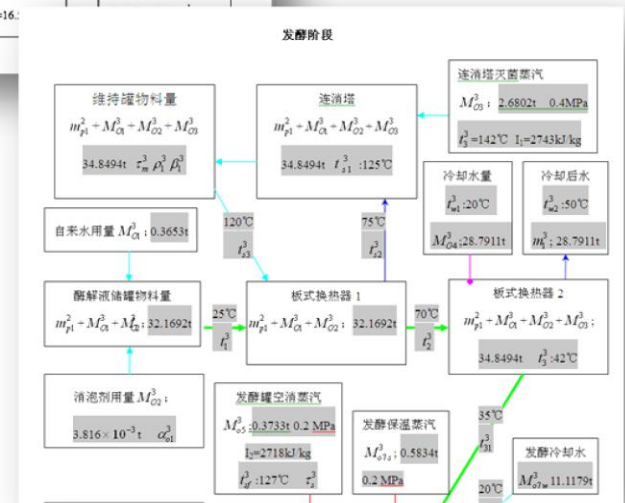
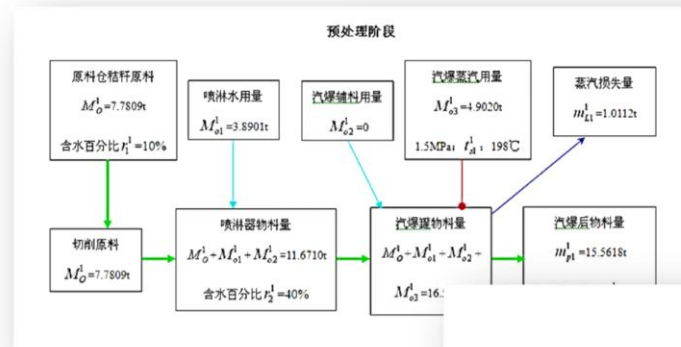
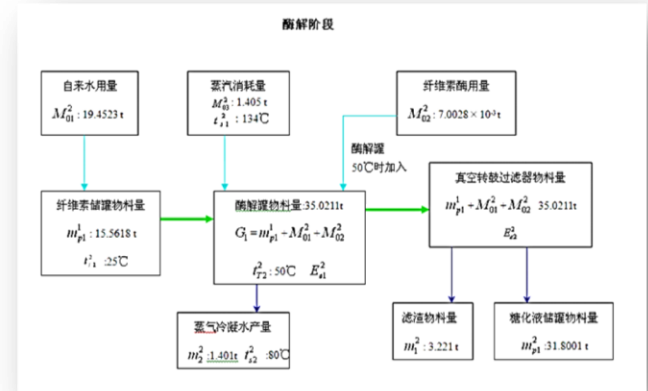
- (1) [数据收集项汇总表](#)
- (2) [一定处理能力的秸秆压缩装置数据](#)
- (3) [一定生产规模的纤维素乙醇生产厂家数据](#)

2 预处理阶段

- (1) [原辅料信息录入](#)
- (2) [副产品信息录入](#)
- (3) [其他消耗信息](#)
- (4) [工业企业（实验室）设备信息](#)
- (5) [所考察预处理方法的技术指标](#)
- (6) [预处理专家评价](#)
- (7) [四项预处理效果指标相对重要性](#)

3 酶解阶段

- (1) [酶解处理技术参数](#)
- (2) [原辅料信息录入](#)
- (3) [副产品信息录入](#)
- (4) [其他消耗信息](#)
- (5) [工业企业（或实验室）设备信息](#)



Cost analysis from material to production



>>> News



Survey reveals floral emission of meth 1 2 3 4

- ✧ Canada announced \$146 million Funds for ... 01-14
- ✧ California governor launches biobutanol ... 01-14
- ✧ Accelergy Licenses EERC Technology for C... 12-16
- ✧ Ensus unveils biofuel refinery 12-14
- ✧ New Mexico launches new biofuels initiat... 12-14
- ✧ Peanut shells, corn stalks: China's alte... 12-11
- ✧ New Imaging Technique Could Lead to Be... 12-02
- ✧ Flax and yellow flowers can produce bioe... 11-30
- ✧ Switchgrass produces biomass efficiently 11-26
- ✧ DNA Molecules in Moss Open Door to New B... 11-24

[more](#) 

Project Introduction

- ✧ Constructing and screening the metabolic engineering strains of macrolactone antibiotics
- ✧ Breeding of Microorganisms producing high value secondary metabolites and their fermentation process optimization
- ✧ Directed Evolution of lipases
- ✧ Enzyme engineering for pharmaceutical industry



中国生物技术信息论坛

用户名:

密码:

[登陆](#)

[注册](#)

[浏览](#)

[Hot](#)

论坛热点论题

- 生物工程与生物技术
- 生物学的未来
- 读生物技术有什么工作岗位可以去呢
- 哪个大学的生物技术比较好??? (考研)
- 为什么学生物技术不容易呢?

第四届中国工业生物技术发展高峰论坛



国际农业生物技术周报

全球将迎来第二轮生物技术发展浪潮



国际农业生物技术应用服务组织 (ISAAA) 2月24日在北京发布2009年度全球转基因作物商业化发展报告。去年全球转基因作物种植面积比2008年增加了7%，目前3/4的大豆、1/2的棉花、1/4的玉米和1/5的油菜都是转基因作物。目前全世界有25个国家开展了转基因作物的商业化种植，32个国家允许转基因作物产品的进口。

[详细内容...](#) [往日头条新闻...](#)

新闻扫描

[More](#)

Hits Date

- 第二届中国人类遗传资源管理专家组成立大会在... [36] 03-02
- 200余国际顶尖科学家 聚京探讨宏基因组学 [48] 03-02
- 小狗起源于中东 [31] 03-02
- 《科学》化腐朽为神奇的另类生物燃料 (图) [44] 03-02
- PNAS: 小鼠和人的胆结石可能藏匿伤寒 [24] 03-02
- 生物降解材料是亚洲塑料产业的未来 [51] 03-02
- 测试个人基因组将比结肠镜检查还便宜 [36] 03-02
- 印度转基因法案的条款引发抗议 [29] 03-02
- 武大教授率先研制成功消化道肿瘤早诊纳米芯片 [39] 03-02
- 蒋跃明: 三颗荔枝改变了考研志愿 [40] 03-02
- 美国Verdezyne公司验证生物基己二酸生产 [33] 03-02
- 美国研究人员求解智力之谜 与大脑体积无关 [29] 03-02

本站新闻检索:

[搜索](#)

[更多新闻](#)

成果博览

[More](#)

专利情况

- 气相双动态固态发酵生产白僵菌孢子粉 未申请专利
- 蔬菜、花卉种子催芽剂育苗技术 未申请专利

专题报道

- 转基因食品安全
- RNA研究
- 干细胞研究
- 生物芯片
- 生物能源
- 环保生物技术

[More](#)

双周热点

- 转基因水稻商业化种植应当慎行 (409)
- 积极推进生物育种产业健康持续发展——农作物生物育种... (405)
- 华人干细胞专家: 给iPS泼点冷水 (312)
- 鲁白: 我决定回国的心路历程 (311)
- 日科学家发现“第三种酶” (309)
- 生物医药行业 VC新10年冷暖之争 (299)
- 中科院曾庆银最新《Plant Cell》 (293)
- NTH干细胞解冻后口—大动作

专家综述



Collaborative Work Environment


新闻管理
添加文章
文章列表
天津文章
每周快报
关键词
我的文章

文献服务 测试版
专利速递
论文速递

知识产权 测试版
添加文章
文章列表

用户管理
添加用户
用户列表
会员管理
论坛用户
论坛报告

类别管理
网站类别

信息服务
提交需求
上传结果
查看需求
查看结果

翻译平台

查看结果信息服务 提交需求信息服务
浏览课题组信息
李寅 浏览新闻 添加新闻 添加邮件列表 [修改](#)

修改用户信息

用户帐号: * 李寅

用户密码:

重复密码:

邮件地址:

用户权限: *

信息反馈: 信息反馈 查看反馈
课题组信息: 删除 修改 浏览 添加
购书管理: 删除 修改 添加 查看
信息服务: 查看需求 查看结果 上传结果 提交需求
会议管理: 会议管理
新闻: 删除 修改 信息统计 流量统计 浏览 工作量统计 头条
翻译平台: 添加文章 文章列表 翻译词库
用户: 删除 修改 添加
邮件列表: 删除 修改 导出 添加
用户管理: 删除 修改 添加 查看
技术成果: 删除 修改 添加 查看
快报: 修改

Users: Pls, Administration officers

查看结果信息服务 提交需求信息服务
浏览新闻 添加新闻 添加邮件列表 [修改](#)

Different users have different functions

China Industry Biotechnology Weekly Newsletter

工业生物技术快讯

第177期

2010年09月09日



中国工业生物技术信息网

从7月1日起将开始提供新年度的会员服务, 敬请关注!

主办: 中国科学院“先进工业生物技术创新基地”

快讯头条新闻

Express Weekly

李家洋副院长、方新副书记出席“黄淮海高产高效现代农业县域示范工程”领导小组联席会议及生物能源合作意向签约活动



李家洋

2010年9月5日, 由中国科学院、河南省人民政府共同主办的“黄淮海高产高效现代农业县域示范工程”(以下简称“示范工程”)领导小组联席会议会在新乡市召开。中国科学院李家洋副院长、方新副书记与河南省刘满仓副省长听取了示范工程一年来的工作进展, 并确定了2011年工作方案, 会议还讨论确定了双方项目执行领导小组和项目执行专家组名单。中科院生物局张知彬局长、计财局孔力局长、河南省农业厅朱孟洲厅长、农业开发办景建国主任、河南农业大学张琼校长、南京土壤所沈仁芳所长、中科院资环局冯仁国副局长、河南省农科院、新乡市、封丘县负责人及各示范县农业部门负责人共60多人参加了会议。项.....

图片新闻



工程院院士:谁掌握低碳核...



微藻(图)(摘译)

23/2008-06-23

重点关注

- 生物质发电领域前景广阔 (摘编)
- 微藻制油现研发热潮 产业化前景可期 (图)
- 世界生物燃料需求预计明年增长20%

热点跟踪

- 竹纤维纱线诞生 一次颠覆性的革命 (图)
- 美研发新技术可使用废弃生物质生产乙醇

研发动态

- 新型高粱乙醇生产过程 (摘译)
- 加拿大: 城市垃圾生物燃料厂破土动工
- 纤维素乙醇: 结束生物燃料与粮食的“

• 7000 users
• 200 weeks

快速搜索: 搜索字段 排序字段 倒序 每页显示数据

发表日期 开始日期:

图片新闻



黑龙江省科技厅生物产业产学研合作对接活动情况



我国首支生物科技创新基金成立



生物产业规划推动美国三角洲地区生物经济发展



专家为能源紧张支招 加快发展生物能源应对能源紧张



生物产业规划推动美国三角洲地区生物经济发展

文章标题	添加日期
9359. 生物燃料与温室气体排放对全球能源市场的影响 (摘译)[0]	2008-07
9358. 中国白色生物技术的未来 (摘译)[9]	2008-07
9357. 乙醇生产形成的副产品DDGS用作塑料填充料(图) (摘译)[13]	2008-07
9356. 同济大学举办“生物质燃料国际研讨会” [5]	2008-07
9355. 武进农民种植生物柴油 完全能与石油媲美 [2]	2008-07
9354. 王金祥: 中国生物能源等新兴产业正在形成 [4]	2008-07
9353. 海洋藻类或可成为新型能源 [6]	2008-07
9352. ARS发现高纤可溶性酒精作为塑料填料 [0]	2008-07
9351. 中国工程院院士描绘中国可再生能源发展路线图 [5]	2008-07
9350. 镇江打造绿色再生能源基地 [1]	2008-07
9349. 联合国: 世界投资者纷纷转向可再生能源和高效技术 [4]	2008-07
9348. 美国参议员要求监察长调查布什政府的生物燃料数据 [2]	2008-07
9347. 利用边际性土地资源生产生物乙醇潜力巨大 [3]	2008-07
9346. 荒漠植物研究可望解决粮食短缺问题(图) (摘译)[15]	2008-06
9345. 仿生材料合成领域研究新进展 [16]	2008-06

热

全球

吉林

醇基

联合

联手

我国

农村

生

美

专

料(图)

科

石

元

喊

奔

走

研

低

聚

功

Com

USDA

■

新

型

验

成

功

秸

秆

源

发

展

法

国

产

■

玉

米

收

率?

日

本

生

产

■

意

大

做

良

好

■

利

用

长

来

生

译

■

微

藻

(图)

(摘译)

每月出版《工业生物技术发展动态》，现已出版3年



- 服务于：共600余人
- 1、基地专家委：20人
 - 2、院内各局
 - 3、院生物口32个研究所的所领导、课题组长约300余人
 - 4、科技部
 - 5、发改委
 - 6、基金委
 - 7、企业

中国科学院“先进工业生物技术创新基地” 主办
《工业生物技术战略研究与知识环境建设》项目组 承办



 科学出版社
www.sciencep.com

年度宏观战略性报告

聘请国内该领域专家担任专家指导委员会，内容涉及该领域的重大规划与进展、产业政策、生物质能源、生物基产品、关键技术的研究进展。邀请该领域的专家撰文，结合文献计量分析方法对研发趋势进行分析比较

目 录

编辑委员会

主 编	张知彬
副 主 编	苏荣辉 马延和 邢雪荣
责任编辑	(按姓氏拼音排序) 刘 斌 马俊才 于建荣
编写人员	(按姓氏拼音排序) 陈 方 陈国强 陈洪章 陈庭坚 陈云伟 陈兆安 堵国成 杜风光 杜晓萌 冯迪娜 冯文生 付瑞燕 胡光荣 华 玲 黄品奇 姜 岷 李来庚 李力强 梁 灵 林章凛 刘 斌 刘力强 刘双江 刘志培 马延和 欧阳平凯 欧阳立明 苏 仪 孙付保 孙际宾 王春明 王 玮 王 义 吴国江 吴林寰 夏 芸 徐 萍 许建和 杨丽萍 于洪巍 于建荣 于 洁 曾安平 张 洁 张 鹏 朱敦明

编者按

发展战略篇

工业生物技术领域重大规划与项目	(2)
生物催化和生物转化的现状、问题及思考	(30)
工业生物系统工程的提出与发展趋势	(37)
生物炼制技术的发展现状与趋势	(45)

生物质原料篇

木质纤维生物质研究概况	(59)
木薯燃料乙醇产业化在种质资源上面临的机遇与挑战	(66)
能源植物的研究现状与研究发展方向	(74)

研发进展篇

从分子水平深入认识能源微生物群落结构、功能和运作机理	(83)
利用代谢工程技术提高工业微生物对环境胁迫的抗性	(92)
生物催化与生物转化研究进展	(99)
中国生物催化和生物转化相关技术最新进展	(111)
生物催化及其应用研究的发展现状和趋势	(118)
系统生物技术的研究进展	(129)
纤维素乙醇预处理技术	(140)
纤维素乙醇生物炼制	(152)
纤维素乙醇生物发酵	(161)
发酵-渗透汽化膜分离耦合工艺生产生物燃料进展	(168)
合成生物学的发展与生物柴油合成的新突破：从化学酯交换制备到微生物体内	

合成	(175)
生物柴油开发现状与前景	(183)
纺织生物技术及其研究进展	(190)
有机废水的厌氧发酵产氢技术	(200)
2007年微生物和微藻生物制氢技术进展和展望	(212)
环境微生物菌剂研发及其在污染控制中的应用进展	(224)
环境微生物的研究热点与发展方向	(233)
产业篇	(243)
战略视角下的生物质能源产业	(244)
生物乙醇发展现状与趋势分析	(250)
生物丁醇的研究进展	(258)
生物材料——聚羟基脂肪酸酯(PHA)产业链	(268)
2007年工业生物技术领域重要事件回顾	(282)

More than 100 authors



迎接可持续发展的生物经济时代

Towards a Sustainable Bioeconomy

中国工业生物技术发展高峰论坛 · 2008

China Summit Forum on Industrial Biotechnology Development · 2008



支撑发展 产业成就未来
中国工业生物技术发展高峰论坛
China Summit Forum on Industrial Biotechnology Development

承办单位：
中国科学院天津工业生物技术研究所(筹)
中国科学院微生物研究所
天津市高新技术成果转化中心

中国 · 天津

生物研究所
天津工业生物技术研究与发展中心(筹)
组委会
成果转化中心



International Barcode of Life Project (iBOL)



One Gene for All Species




iBOL International Barcode of Life Project

Imagine...


a world in which you can know the name of

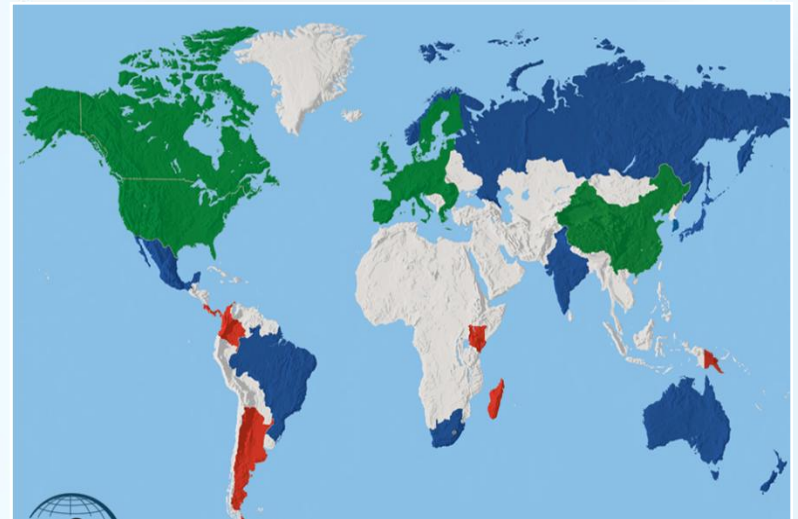
any animal any plant any fungus any organism



on the spot in an instant anywhere on our planet

This is the world that iBOL will build

 **iBOL** International Barcode of Life Project
Assembling the DNA barcode library of life



5 Years

\$150M

5M Specimens

500K Species

86 scientists from 70 institution/universities of 25 countries

WG 1.1 VERTEBRATES
(55K SPECIES) 脊椎动物

WG 1.2 LAND PLANTS
(100K SPECIES) 陆生植物



WG 1.3 FUNGI (10K SPECIES) 真菌

WG 1.4 HUMAN PATHOGENS AND ZOOZOSES (10K SPECIES) 人类病原体和人畜共患病

WG 1.5 AGRICULTURAL AND FORESTRY PESTS AND THEIR PARASITOIDS (25K SPECIES) 农业和林业害虫及其寄生种类



WG 1.6 POLLINATORS (55K SPECIES) 传粉昆虫

**WG 1.7 FRESHWATER
BIO-SURVEILLANCE
(25K SPECIES)**

淡水
生物
监测



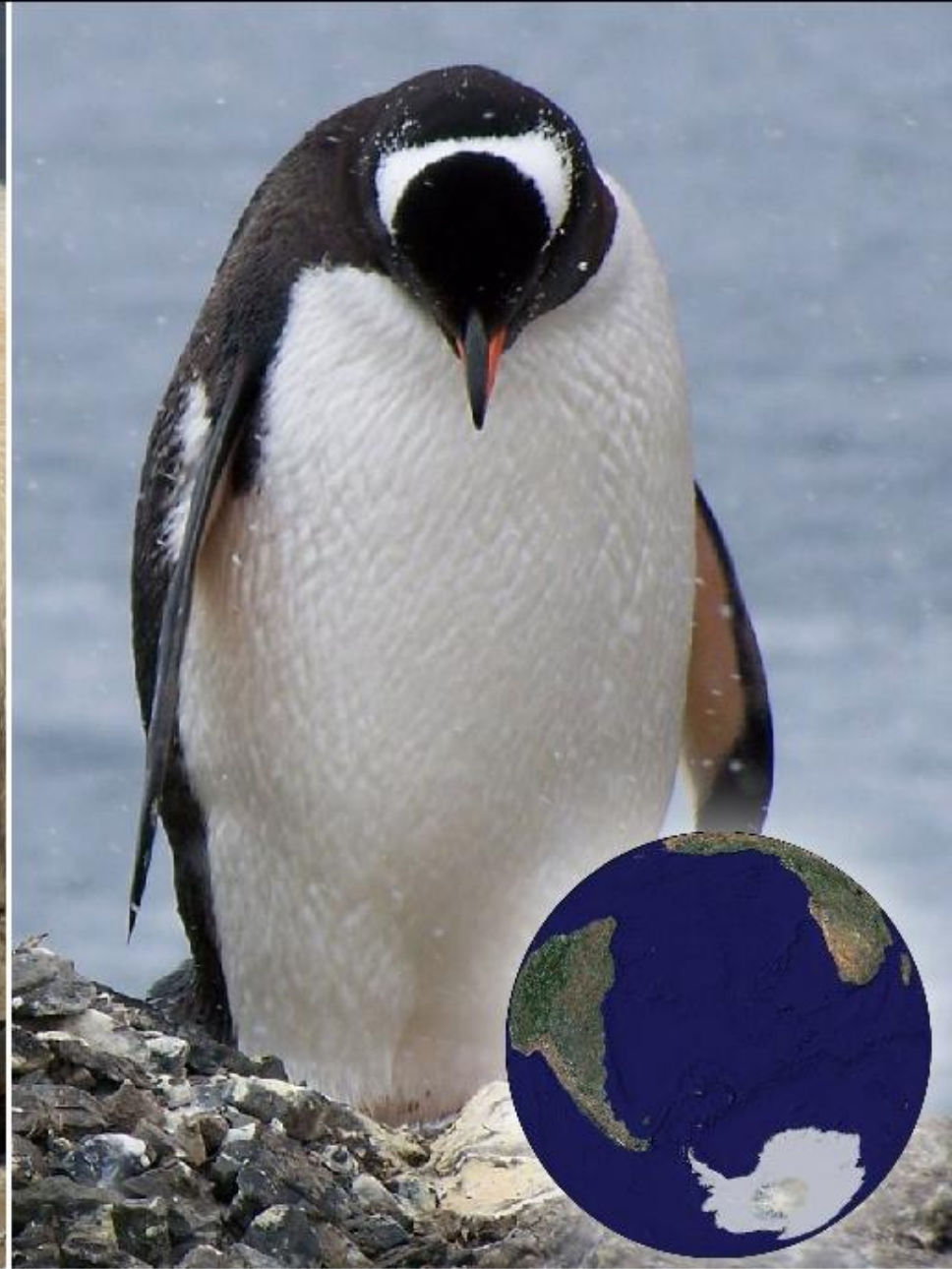
**WG 1.8 MARINE
BIO-SURVEILLANCE
(100K SPECIES)**

海洋
生物
监测



WG 1.9 TERRESTRIAL BIO-SURVEILLANCE (100K SPECIES)

陆地
生物



WG 1.10 POLAR LIFE (20K SPECIES) 极地生命



Global Bio-ID System

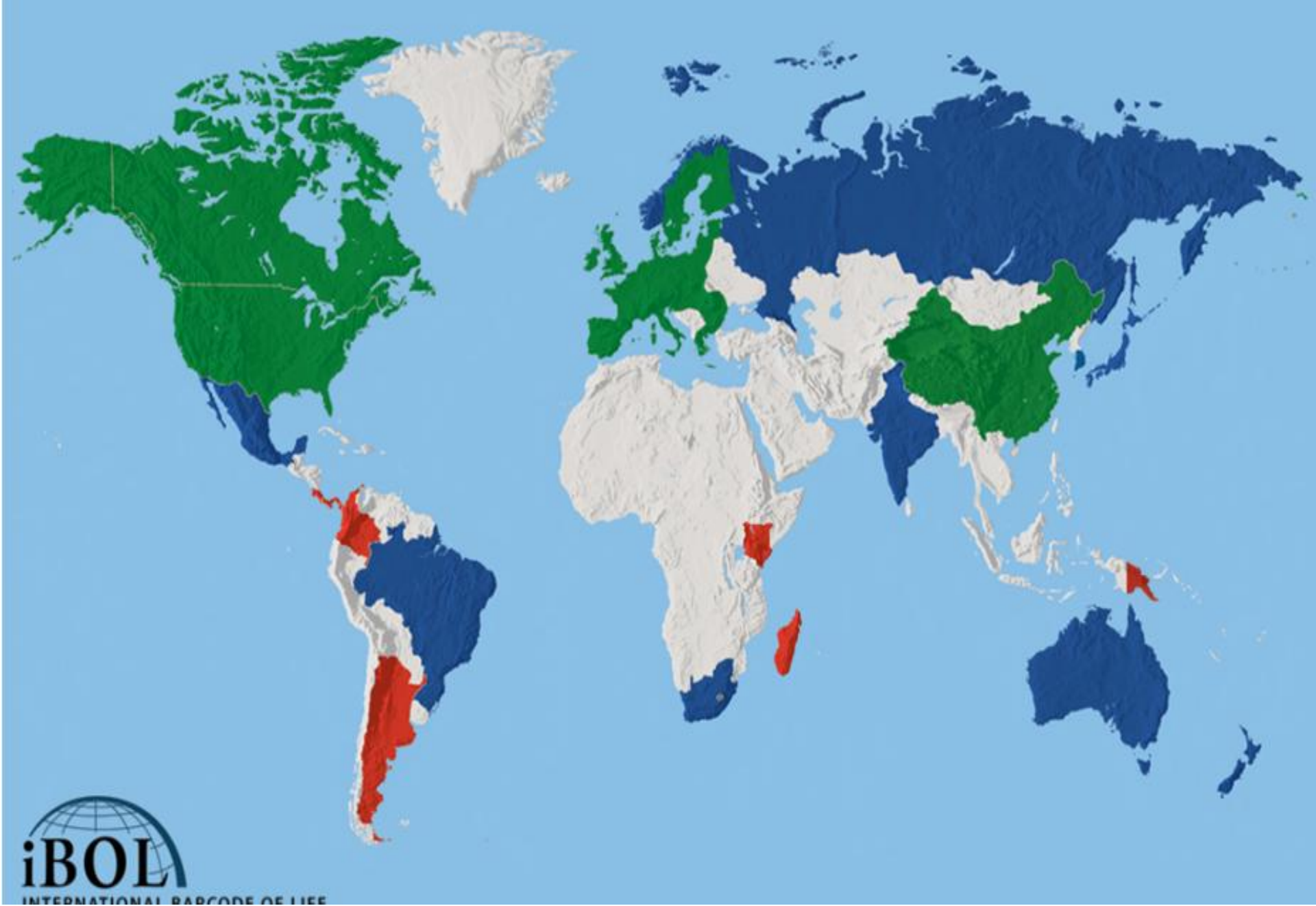
iBOL Science Steering Committee

Sep 24-25, 2010

1 M sequences, 87,033 S



Toronto CN Tower is barcoded!



4 central nodes, 9 regional node, 7 country nodes

Data Portal

中国生命条形码数据门户

Barcode of Life in China



What is new?

1. 中国真菌DNA条形码研讨会在微生物研究所召开
2. 我专家积极推进真菌DNA条形码系统建设
3. 中加国际生命条形码 (IBOL) 计划会议在京召开
4. 中科院成为国际生命条形码计划全球中心节点协调机构
5. 生物条形码"项目在英启动
6. DNA条形码技术将为发现新物种提供有力手段

Introduction of Barcode Project

什么是生命条形码

IBOL的主要研究内容

生命条形码的原理

动物条形码技术方法

生命条形码的科学影响

植物条形码技术方法

生命条形码研究背景介绍

微生物条形码技术方法介绍

相关国际组织介绍: IBOL、CBOL

相关网站

Username

Password

Login

[Request a new user account!](#)

中加国际生命条形码 (iBOL) 计划会议在京召开

10月14日, 中加国际生命条形码(iBOL)计划会议(iBOL Meeting of China and Canada)在中国科学院动物研究所召开。应中国科学院副院长李家洋的邀请, 加拿大自然科学与工程研究委员会(NSERC)主任Suzanne Fortier, 基因组加拿大主席、首席执行官Martin Godbout, 圭尔夫大学校长Alastair Summerlee, 国际生命条形码计划(iBOL)首席科学家、加拿大安大略生物多样性研究所所长Paul Hebert等一行6人参加了本次双边会议。会议由生命科学与生物技术局局长张知彬主持。中国科学院生命科学与生物技术局、国际合作局、动物研究所、昆明动物研究所、微生物所及中国医学科学院药用植物研究所、中国疾病预防控制中心、国检验检疫科学研究院、中国农业大学等单位的领导与专家出席了会议。国家科技部高新技术发展及产业化司副司长廖小罕、国家自然科学基金委员会生命科学部副主任冯雪莲也应邀出席了会议。

李家洋副院长首先代表中国科学院欢迎加拿大专家来到中国, 并介绍了中国科学院的整体情况。随后, 基因组加拿大主席Martin Godbout做了题为“Genome Canada”的报告, 详细介绍了基因组加拿大的机构组成、目标及目前计划; NSERC主任Suzanne Fortier博士代表加拿大自然科学与工程研究委员会讲话; 加拿大皇家学会会员Paul Herbert做了题为“国际生命条形码计划”的报告, 对国际生命条形码计划的背景、意义以及目前在国际上的进展、数据的共享、预期的成果做了详细的介绍。中国科学院昆明动物研究所张亚平院士做了题为“iBOL-中国”的报告, 从“为什么中国要加入国际生命条形码计划?”及“中国能为国际生命条形码计划做出重大贡献?”两方面对目前iBOL在中国前期开展情况, 计划成立的iBOL中国南方中心、北方中心等做了详细的介绍, 明确指出我们应该抓住机遇在生命科学领域开展此项工作。中国检验检疫科学研究院李明福研究员也做了相关报告。上述几位报告人的报告使与会人员对国际生命条形码计划、中国目前开展的情况及前期准备预研、数据共享等有了更进一步的了解, 这对iBOL在中国的开展、发展带来很大的指导作用。随后, 参会人员就iBOL相关问题进行了热烈的讨论。大家一致认为, 中国及生物多样性丰富的国家, 抓住机遇开展生命条码工作将会对我国生物多样性检测与利用、物种鉴定等方面有重要意义, 在法医学、流行病学、以及医药、食品质量控制等社会经济领域具有广泛的



首席科学家Paul Hebert
与合作; 2008年4月
月中国科学院、科
参加本次会议的领
, 必将产生重大的



Animal Data

Sample Information

Sample Storing Information

Sample ID	KIZ04395
Field ID	
Museum Voucher ID	
Collection Code	
Institution Storing	中科院昆明动物研究所
Sample Donor	车静
Donor Email	chej@mail.kiz.ac.cn

Collection Details

Sample ID	KIZ04395
Collectors	车静, 颜芳, 王运宇
Collection Date	2009.08
Ocean	亚洲
Country	中国
State	湖南
City	沅陵县
Sector	
Exact Site	
Latitude	
Longitude	
Elevation	

Image Details



Sample ID	KIZ04395
Original Specimen	
View Metadata	
Caption	
Measurement	
Measurement Type	
Copyright	
Copyright Details	

Displayed in Map



Taxonomy

Sample ID	KIZ04395
Phylum	脊椎动物
Class	两栖
Order	无尾目
Family	姬蛙科
Genus	Microhyla
Species	小弧斑姬蛙

Project Details	
Project Title	昆明动物所 - 姬蛙
Project Code	KMDWS2010-09-19
Project Type	动物
Primary Marker	CO1
Secondary Marker	
Project Description	中国科学院昆明动物研究所 姬蛙
Project Manager	张亚平

Sample Details	
Sample ID	KIZ04395
Sex	
Reproduction	
Life Stage	
Extra Info.	
Notes	

Identifier Email	0
------------------	---

Sequence Details

Sample ID	KIZ04395
Process ID	kmdws-KIZ04395
Marker	
Primer	641
Sequence	GTACTGGGTCTCCTCCTCCTGCGGGGTCAAAAAATGTTGTATTTAGGTTGCGGTCAGTTAAAAGTATCGTAATGCCAGCAGCAAG AACAGGGAGAGATAAAAAGAAGAAGTACTGCGGTGATTAACAGATCACACAAAGAGAGGTGTTTGATATTGAGTTACAGATGGG GGTTTTATGTTAATAATGGTAGTAATAAAGTTAATTGCTCCCAGAATTGATGATACTCCGGCTAAATGGAGAGAAAAAATTGTTA AATCTACGGATGGGCCCCGCATGTGCAAGGTTGCCAGCGAGGGGGGATAAACAGTTCATCCTGTCCCCGCCCGGCTTCCACGGC TGATGAGGCTAAAAGTAAAAGGAACGATGGGGGGAGAAGTCAAAAGCTTATGTTATTTATTCGGGGAAATGCTATGTCTGGGGCC CCAATTATTAAGGAAGTACTAGTCAAGTTCGCAAAACCCCAATTATAATTGGCATAACTATGAAGAAAATTATTACAAATGCGTGAG CAGTAACAATGACGTTATAAATTTGGTCATCTCCAAGAAGAGTACCAGGTTGGCTTAGTTCTGCACGAATTAAGAGACTAAGGGC AGTGCCCACTATTCCAGCTCAGGCACCAAAAATTAGGTAAAGGGTA
<input type="button" value="Identify Sequence"/>	

Trace File Information

No Trace File Information

Plant Data

Sample Information

Sample Storing Information

Sample ID	LDXR117
Field ID	
Museum	
Voucher ID	
Collection Code	LDXR117
Institution	中国科学院昆明植物所
Storing	
Sample Donor	王雨华
Donor Email	wangyuhua@mail.kib.ac.cn

Collection Details

Sample ID	LDXR117
Collectors	李洪雷; 董晓宇; 向小果; 任保青
Collection	
Date	
Ocean	亚洲
Country	中国
State	浙江
City	杭州
Sector	
Exact Site	
Latitude	
Longitude	
Elevation	

Image Details



Sample ID	LDXR117
Original Specimen	
View Metadata	
Caption	
Measurement	
Measurement Type	
Copyright	
Copyright Details	

Displayed in Map



Taxonomy

Sample ID	LDXR117
Phylum	
Class	
Order	
Family	Betulaceae
Genus	
Species	<i>Alnus cremastogyne</i> Burkill
Identifier	任保青

Project Details	
Project Title	昆明植物所
Project Code	kmzws20100920
Project Type	植物
Primary Marker	
Secondary Marker	
Project Description	昆明植物所 植物数据
Project Manager	王雨华

Sample Details	
Sample ID	LDXR117
Sex	
Reproduction	
Life Stage	
Extra Info.	
Notes	

Identifier	任保青
Identifier	0
Email	

Sequence Details

Sample ID	LDXR117
Process ID	H-CZD-BCA20-LDXR117-psbA
Marker	trnH-psbA
Primer	546
Sequence	AAATAACGTAATGCTCATAATTTCCCTCTAGACTTAGCTGCTGTCGAAGCTCCATCTACAAATGGATAAGACTTCGGTTTTAGTA <input type="button" value="Identify Sequence"/> TATATGAGTTATTGAAAATAAAGGAGCAATAATCAACTTCTTGTTCTCTCAAGAGGATTGCTATTGCTCCTTTATTAGCCCTTA ATTACTATTATTTAATACTATTAATTAATTACTATTTAGTTGCTTTTACTTACATAAGTTTTTGATTTCTTTACTTTAACAT ACAAAAAAGTATTTGAGTATCCTATTTTCGTTATGTAGTAATTTTTTTATATGTTCTTATCGGTTTTTTGTGAAGTTTTTATTT ATTATTCTCTATTTATTCTCTTTTTTTATTTGAAAATTTTCAAATTTAAAGATAAAGGTTTCAATTTCTTTTATGTCTC TTGTATCTTAGAAGAAAGGTAACATTAGGAATGGTAGAGATGAAATCTCCATGTAATTTGACTACATGGAGTATAGGGGCGGA TG TAGCCAAGTGGATCAAGGCAGTGGATTGTGAATC

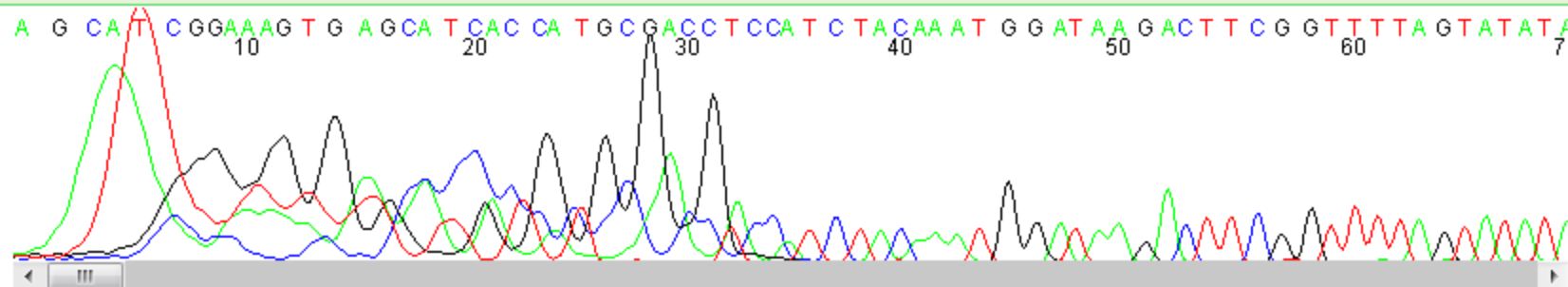
Trace File Information

Sequence Details

Sample ID LDXR117
Process ID H-CZD-BCA20-LDXR117-psbA
Marker trnH-psbA
Primer 546
Sequence AAATAACGTAATGCTCATAATTTCCCTCTAGACTTAGCTGCTGTCGAAGCTCCATCTACAAATGGATAAGACTTCGGTTTTAGTATATATGAGTTATTGAAAATAAAGGAGCAATAATCAACTTCTGTTCTCTCAAGAGGATTGCTATTGCTCCTTTATTAGCCCTTAATTACTATTATTAATTACTATTAATTAATTACTATTTAGTTGCTTTTACTTACATAAGTTTTTTGATTTCTTTACTTTAACATACAAAAAAGTATTTGAGTATCCTATTTTCGTTATGTAGTAATTTTTTTTATATGTTCTTATCGGTTTTTTGTGAAGTTTTTATTATTATTCTCTATTATTCTCTTTTTTTATTTGAAAATTATTTCAAATTAAGATAAAGGTTTCAATTTCTTTTATGTCTCTTGATCTTAGAAGAAAGGTAACATTAGGAATGGTAGAGATGAAATCTCCATGTAATTTGACTACATGGAGTATAGGGGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGCAGTGGATTGTGAATC

Identify Sequence

Trace File Information



Sample ID:	LDXR117	Process ID:	H-CZD-BCA20-LDXR117-psbA	Trace File:	H-CZD-BCA20-LDXR117-psbA.ab1
Score File:		Primers FWD:		Primers REV:	
PCR Primers FWD:		PCR Primers REV:		Read Direction:	
Marker:					

Fungi Data

中国生命条形码信息管理系统



首页 | 项目信息 | 标本信息 | 图片信息 | 序列信息 | Trace 信息 | 引物信息 | 快速导入 |

majunca 欢迎登陆系统! 退出

详细信息

[Chinese Version](#)

Sample Information

Sample Storing Information

Sample ID	guoldec0212
Field ID	Guo-212
Museum Voucher ID	260759
Collection Code	9-8-19-23
Institution Storing	中国科学院微生物研究所真菌标本馆
Sample Donor	高程
Donor Email	gaoc@im.ac.cn

Collection Details

Sample ID	guoldec0212
Collectors	高程, 史楠楠, 郑勇
Collection Date	19/08/2009
Ocean	陆地
Country	中国
State	浙江
City	衢州市
Sector	开化县
Exact Site	古田山
Latitude	29
Longitude	118
Elevation	500-800

Image Details



Sample ID	guoldec0212
Original	yes

Displayed in Map



Identifier	高程
Identifier	0
Email	

Project Details	
Project Title	微生物所-外生菌根真菌
Project Code	GUOLD-ECM
Project Type	真菌
Primary Marker	ITS
Secondary Marker	None
Project Description	中国科学院微生物研究所 外生菌根
Project Manager	郭良栋

Sample Details	
Sample ID	guoldec0211
Sex	
Reproduction	
Life Stage	
Extra Info.	
Notes	

Sequence Details

Sample ID	guoldec0211
Process ID	guo211
Marker	ITS
Primer	
Sequence	TTGTGCACGCCTGAGCGCGTCCTCTCACATAACATCCATCTCACCCCTTTGTGCACCACCGCGTGGGCACCCTTTGGGATCGAACCGATCCGGGAGGGGCTTGCGTTTTACACAAACCCCTTTAAAAAAGTGTAGAATGTCCCCATTTGCGATGACACGCAATCAATACAACCTTCAACAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCGAAATGCGATACGTAATGTGAATTGCAGAATTGAGTGTGCGTGAATAATCTCAACCTTCTCGGTTTTCTTCTGGACTGAAGGAGGCTTGACTTTGGAGGCCTTTGCTGGCATCTCTCTTTTTGAGAGCCAGCTCTCTT

Identify Sequence

Sequence Details

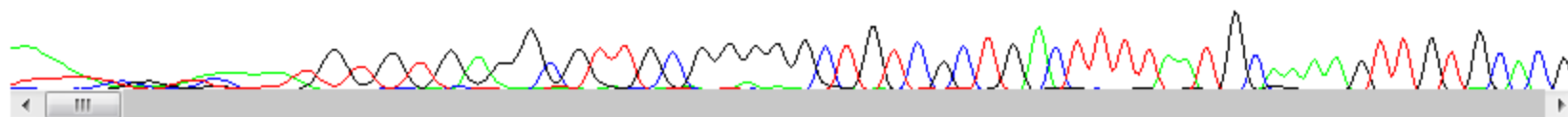
Sample ID	guoldec0211
Process ID	guo211
Marker	ITS
Primer	
Sequence	TTGTGCACGCCTGAGCGCGTCCTCTCACATAACATCCATCTCACCCCTTTGTGCACCACCGCGTGGGCACCCTTTGGGATCGAAC CGATCCGGGAGGGGGCTTGCCTTTTACACAAACCCCTTTAAAAAAGTGTAGAATGTCCCCATTTGCGATGACACGCAATCA ATACAACCTTCAACAACGGATCTCTGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGCAGCGAAATGCGATACGTAATGTGAATTGCAGAATT CAGTGAATCATCGAATCTTTGAACGCACCTTGCGCCCTTGGTATTCCGAGGGGCACACCCGTTTGAGTGTCGTGAAAAATCTCAA CCTTCTCGGTTTTCTTCTGGACTGAAGGAGGCTTGGACTTTGGAGGCCTTGTGGCATCTCTCTTTTTGAGAGCCAGCTC CTCTT

[Identify Sequence](#)

Trace File Information

CA TTTCG TCA AA TGTGTGAGGC GTTGC GGGGCTGTCGC TGA ACTTTTAA TGC AAAAGTTGTGCACG

10 20 30 40 50 60



Sample ID:	guoldec0211	Process ID:	guo211	Trace File:	211.ab1
Score File:		Primers FWD:	ITS1F	Primers REV:	ITS4
PCR Primers FWD:	ITS1F	PCR Primers REV:		Read Direction:	Forward
Marker:					



Statistics

Barcode Records **284143**

Number of species **49660**

Number of countries **199**

Number of Institutions **336**

[daily updates](#)

Introduction

The Global Mirror System of DNA Barcode Data (GMS-DBD) is designed as a web-based system to distribute DNA barcode data generated by the International Barcode of Life (iBOL) project. iBOL is the largest biodiversity genomics initiative ever undertaken, and aiming to produce DNA barcode records from 5 million specimen of 500K species in 5 years.

[more](#)

Links

- [International Barcode of Life](#)
- [Lepidoptera Barcode of Life](#)
- [Fish Barcode of Life](#)
- [All Birds Barcoding Initiative](#)

[more](#)

Building the Global Bio-ID System



The Global Mirror System of DNA Barcode Data is developed by the Network Information Center, Institute of Microbiology, Chinese Academy of Sciences. This project was started from April, 2010.



Species Name

Country

Go



The Global Mirror System of DNA Barcode Data (GMS-DBD) is designed as a web-based system to distribute DNA barcode data generated by the International Barcode of Life (iBOL) project.

[Home](#) |
 [Browse](#) |
 [Search](#) |
 [Identification](#) |
 [Taxonomy](#) |
 [Statistics](#) |
 [Contact](#)

Date	New Records	Updated Records	Total
14-Sep-2010	2764	0	2764
13-Sep-2010	0	0	0
11-Sep-2010	709	0	709
12-Sep-2010	0	0	0
10-Sep-2010	170	0	170
09-Sep-2010	43	0	43
08-Sep-2010	760	0	760
07-Sep-2010	29	0	29
06-Sep-2010	0	0	0
05-Sep-2010	0	0	0
04-Sep-2010	570	0	570
03-Sep-2010	3700	0	3700
02-Sep-2010	468	0	468
01-Sep-2010	120	0	120
31-Aug-2010	126	0	126
30-Aug-2010	7	0	7
29-Aug-2010	0	0	0
28-Aug-2010	82	0	82
27-Aug-2010	121	0	121

Number of Institutions **336**

Introduction

Schweiz liegt in Westeuropa. Wegen ihrer zentralen Lage ist das Land ein Schnittpunkt unterschiedlicher Kulturen und gleichzeitig Kommunikations- und Transportzentrum.

[more](#)

Events

[International Barcode of Life](#)
[Lepidoptera Barcode of Life](#)
[Fish Barcode of Life](#)
[All Birds Barcoding Initiative](#)

[more](#)



Schweiz liegt in Westeuropa. Wegen ihrer zentralen Lage ist das Land ein Schnittpunkt unterschiedlicher Kulturen und gleichzeitig Kommunikations- und Transportzentrum.



Species Name

Country

Go



Schweiz liegt in Westeuropa. Wegen ihrer zentralen Lage ist das Land ein Schnittpunkt unterschiedlicher Kulturen und gleichzeitig Kommunikations- und Transportzentrum.

[Home](#)
[Browse](#)
[Search](#)
[Identification](#)
[Taxonomy](#)
[Statistics](#)
[Documents](#)

Number of results : 1539

	Sample ID	Sequence ID	Species	Institution Storing	Marker Code	Country
1 <input type="checkbox"/>	FSCS 74-I-1	FSCS199-06	<i>Abudefduf septemfasciatus</i>	Marine Biodiversity Collection of South China Sea	COI-5P	China more
2 <input type="checkbox"/>	FSCS 32-W-1	FSCS078-06	<i>Acanthopagrus berda</i>	Marine Biodiversity Collection of South China Sea	COI-5P	China more
3 <input type="checkbox"/>	SCSIO-Fish-Z711030	FSCS362-07	<i>Acanthopagrus latus</i>	Marine Biodiversity Collection of South China Sea	COI-5P	China more
4 <input type="checkbox"/>	SCSIO-Fish-Z711029	FSCS361-07	<i>Acanthopagrus latus</i>	Marine Biodiversity Collection of South China Sea	COI-5P	China more
5 <input type="checkbox"/>	SCSIO-Fish-Z711071	FSCS371-07	<i>Acanthopagrus latus</i>	Marine Biodiversity Collection of South China Sea		China more
6 <input type="checkbox"/>	SCSIO-Fish-Z711067	FSCS367-07	<i>Acanthopagrus latus</i>	Marine Biodiversity Collection of South China Sea	COI-5P	China more
7 <input type="checkbox"/>	SCSIO-Fish-Z711400	FSCS783-08	<i>Acanthopagrus latus</i>	Marine Biodiversity Collection of South China Sea	COI-5P	China more
8 <input type="checkbox"/>	SCSIO-Fish-Z711028	FSCS360-07	<i>Acanthopagrus latus</i>	Marine Biodiversity Collection of South China Sea	COI-5P	China more
9 <input type="checkbox"/>	SCSIO-Fish-Z711399	FSCS782-08	<i>Acanthopagrus latus</i>	Marine Biodiversity Collection of South China Sea	COI-5P	China more
10 <input type="checkbox"/>	SCSIO-Fish-Z711066	FSCS366-07	<i>Acanthopagrus latus</i>	Marine Biodiversity Collection of South China Sea		China more

Specimen Information

Sample Storage

Sample ID:	MX932
Catalog Number:	ECOCH
Voucher Type:	
Voucher Description:	
Institution Storing:	El Colegio de la Frontera Sur, Chetumal
Identification Provided by:	Martha Valdez

Taxonomy

Phylum:	Chordata
Class:	Actinopterygii
Order:	Perciformes
Family:	Scombridae
Genus:	Acanthocybium
Species:	Acanthocybium solandri

Sample Collection

Ocean:	
Country:	Mexico
State:	Quintana Roo
Region:	
Exact Site:	Cozumel
Latitude:	20.416
Longitude:	-86.804
Coordinate:	
Collectors:	Martha Valdez, Manuel Elias
Collectiondate:	2007-05-12

Specimen Details

Sex:	
Life Stage:	A
Reproduction:	S
Notes:	Sport fish, not vouchered

Sequence Details

Sequence ID:	2731702
Marker	COI-5P

Voucher Description:
Institution Storing: El Colegio de la Frontera Sur,
Chetumal
Identification Provided by: Martha Valdez

Family: Scombridae
Genus: Acanthocybium
Species: Acanthocybium solandri

Sample Collection

Ocean:
Country: Mexico
State: Quintana Roo
Region:
Exact Site: Cozumel
Latitude: 20.416
Longitude: -86.804
Coordinate:
Collectors: Martha Valdez, Manuel Elias
Collectiondate: 2007-05-12

Specimen Details

Sex:
Life Stage: A
Reproduction: S
Notes: Sport fish, not vouchered

Sequence Details

Sequence ID: 2731702

Marker Code: COI-5P

Residues: 652
A: 156
G: 121
C: 190
T: 185
Ambiguous: 0

```
CCTCTATCTAGTATTTGGTGCATGAGCTGGTATAGTTGGCACAGCCTTAAGCCTGCTCATCCGAGCTGAGCTAAGCCAACCAGGT  
GCCCTTCTTGGGGACGACCAGATCTACAATGTAATTGTTACGGCTCACGCCTTCGTAATAAATTTCTTTATAGTAATGCCAATTA  
TGATTGGAGGTTTCGGAAACTGACTCATCCCTCTAATGATTGGAGCCCCAGACATAGCATTCCCCGAATAAACAACATGAGCTT  
CTGACTCTTACCTCCTTCATTCTTCTGCTCCTAGCCTCTTCTGGGGTCTGAAGCTGGTGCCGGAACCTGGATGAACAGTATACCCC  
CCTCTCGCCGGTAACCTAGCCCACGCTGGAGCGTCAGTTGACTTAACCATTTTCTCCCTGCACTTAGCAGGTGTTTCTCAATCC  
TCGGGGCAATTAACCTTATTACAACAATTATTAATATGAAACCCGAGCTATTTCTCAGTACCAGACGCCCTATTTGTATGAGC  
CGICCTAATTACTGCCGTTCTACTTCTACTTTCACTACCAGTCCTTGCCGCCGGCATTACAATGCTTCTTACGGACCGAAACCTA  
AATACAACCTTTTTTCGACCCCGCAGGAGGAGGTGACCCAATCCTTTACCAACACCTA
```

T: 185

CGTCCTAATTACTGCCGTTCTACTTCTACTTTCACTACCAGTCCTTGCCGCCGGCATTACAATGCTTCTTACGGACCGAAACCTA
AATACAACCTTTTTCGACCCCGCAGGAGGAGGTGACCCAATCCTTTACCAACACCTA

Ambiguous: 0

Illustrative Barcode



Photograph

No image available currently!

Trace File Details

No trace file available currently!

[Home](#)[Browse](#)[Search](#)[Identification](#)[Taxonomy](#)[Statistics](#)[Documents](#)

The BOLD Identification System (IDS) for COI accepts sequences from the 5' region of the mitochondrial Cytochrome c oxidase subunit I gene and returns a species-level identification when one is possible. Further validation with independent genetic markers will be desirable in some forensic applications.

```
CCTCTATCTAGTATTTGGTGCATGAGCTGGTATAGTTGGCACAGCCTTAAGCCTGCTCATCCGAGCTGAGCTAAGCCAACCAGGTGCCCTTCTTGGG
GACGACCAGATCTACAATGTAATTGTTACGGCTCACGCCCTTCGTAATAATTTCTTTATAGTAATGCCAATTATGATTGGAGTTTCGGAAACTGACTC
ATCCCTCTAATGATTGGAGCCCCAGACATAGCATTCCCCGAATAAACAACATGAGCTTCTGACTCTTACCTCCTTCATTCCTCTGCTCCTAGCCTCT
TCTGGGGTCGAAGCTGGTGCCGGAAGTGGATGAACAGTATACCCCTCTCGCCGGTAACCTAGCCCACGCTGGAGCGTCAGTTGACTTAACCATT
TTCTCCCTGCACCTAGCAGGTGTTTCCTCAATCCTCGGGGCAATTAACCTCATTACAACAATTATTAATATGAAACCCGCAGCTATTTCTCAGTACCAG
ACGCCCTATTTGTATGAGCCGTCTAATTACTGCCGTTCTACTTCTACTTTCACTACCAGTCCCTTGCCGCGGCATTACAATGCTTCTTACGGACCGA
AACTTAAATACAACCTTTTTCGACCCCGCAGGAGGAGGTGACCCAATCCTTTACCAACACCTA
```



Sequences producing significant alignments:

Score E
(bits) Value

1112289	COI-5P	Abida	Abida	attenuata	1076	0.0
1112288	COI-5P	Abida	Abida	attenuata	973	0.0
1112213	COI-5P	Abida	Abida	secale	751	0.0
1112256	COI-5P	Abida	Abida	secale	644	0.0
1112257	COI-5P	Abida	Abida	secale	640	0.0
1112255	COI-5P	Abida	Abida	secale	628	e-179
1112240	COI-5P	Abida	Abida	secale	628	e-179
1112271	COI-5P	Abida	Abida	secale	628	e-179
1112270	COI-5P	Abida	Abida	secale	620	e-177
1112272	COI-5P	Abida	Abida	secale	620	e-177
1112269	COI-5P	Abida	Abida	secale	620	e-177
1112243	COI-5P	Abida	Abida	secale	620	e-177
1112251	COI-5P	Abida	Abida	secale	620	e-177
1112186	COI-5P	Abida	Abida	secale	609	e-173
1112193	COI-5P	Abida	Abida	secale	609	e-173
1112241	COI-5P	Abida	Abida	secale	605	e-172
1112259	COI-5P	Abida	Abida	secale	605	e-172
1112187	COI-5P	Abida	Abida	secale	601	e-171
1112279	COI-5P	Abida	Abida	secale	601	e-171
1112191	COI-5P	Abida	Abida	secale	597	e-170
1112242	COI-5P	Abida	Abida	secale	597	e-170
1112247	COI-5P	Abida	Abida	secale	597	e-170
1112258	COI-5P	Abida	Abida	secale	597	e-170
1112227	COI-5P	Abida	Abida	secale	597	e-170
1112197	COI-5P	Abida	Abida	secale	597	e-170
1112248	COI-5P	Abida	Abida	secale	597	e-170
1112278	COI-5P	Abida	Abida	secale	593	e-168
1112223	COI-5P	Abida	Abida	secale	589	e-167
1112185	COI-5P	Abida	Abida	secale	581	e-165
1112233	COI-5P	Abida	Abida	secale	573	e-162
1112235	COI-5P	Abida	Abida	secale	573	e-162
1112287	COI-5P	Abida	Abida	attenuata	573	e-162
1112214	COI-5P	Abida	Abida	secale	569	e-161
1112228	COI-5P	Abida	Abida	secale	565	e-160
1112267	COI-5P	Abida	Abida	secale	565	e-160
1112195	COI-5P	Abida	Abida	secale	565	e-160
1112212	COI-5P	Abida	Abida	secale	557	e-158
1112244	COI-5P	Abida	Abida	secale	557	e-158
1112265	COI-5P	Abida	Abida	secale	553	e-156
1112234	COI-5P	Abida	Abida	secale	549	e-155
1112236	COI-5P	Abida	Abida	secale	549	e-155
1112250	COI-5P	Abida	Abida	secale	549	e-155

Many thanks

- ◆ **IMCAS:** Prof. DONG Xiuzhu, Prof. ZHOU Yuguang
- ◆ **ACM:** Dr. Ken-Ichiro SUZUKI, Masami Ichihara,
Supawadee Ingsriswang, Hiroshi Yokoyama, Hee-Mock
Oh4, Wanchern Potacharoen
- ◆ **NIG:** Dr. Hideaki SUGAWARA
- ◆ **iBOL:** Paul Hebert, Sujeevan Ratnasingham

Thank my staffs

Full time staffs:



马俊才



刘 翟



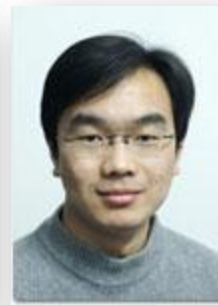
吴林寰



刘澎涛



杜晓萌



刘全贺



劳一美



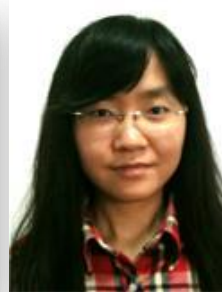
孙青岚



陈 成



郭广慧



田园静



高雅奇



李聚敏

Students:



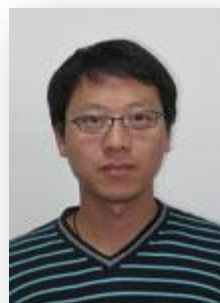
吴国爽



崔用亮



黄艳丽



杨超瑞



夏 青



苏小林